FIGURE 1

SNP detection using the Invader™ assay in a biplex format

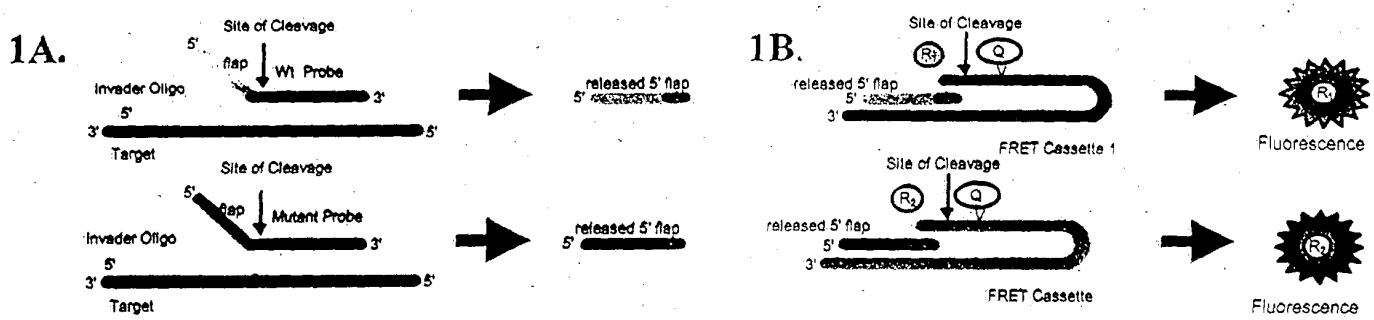


Figure 1. The principle of the Invader™ assay. The Invader™ assay allows for the simultaneous detection of two distinct alleles in the same reaction using an isothermal, single addition format. (A) Allele discrimination takes place by "structure specific" cleavage of the Probe, releasing a 5' flap which corresponds to a given polymorphism. (B) In the second reaction, the released 5' flap mediates signal generation by cleavage of the appropriate FRET cassette.

FIGURE 2

Automated primer selection for multiplex PCR using *Invader™ Creator Primer Designer v 1.3.3*

Multiplex PCR commonly requires extensive optimization to avoid biased amplification of select amplicons and the amplification of spurious products resulting from the formation of primer-dimers. In order to avoid these problems, we have designed *Invader™ Creator Primer Designer v1.3.3* software for the automated selection of multiplex primers. Beginning with a set of user defined sequences and corresponding SNP locations, *Invader ™ Creator Primer Designer* defines an "Invader™ footprint" (the minimal amplicon required for Invader™ detection) for each sequence. Primers are designed outward from the "Invader™ footprint" and evaluated against several criteria, including the potential for primer-dimer formation with previously designed primers in the current multiplexing set. *Invader ™ Creator Primer Designer* continues through multiple iterations of the same set of sequences until primers against all sequences in the current multiplexing set can be designed.

2A.

```
29043,FMO1,aagttagaagaaccaagactatcttgtcaggggtgtattttgagagtggcagacttttcagtgcct
ttccattcatgacacttcttgaatctctggcagaaccagccagccgtgttcacagtgtcaaatgaagggatgtcttt
gattgcttccaggtgttcctcagcaccaccggaggggggatgggtgatcagccgaatctttgactcgggctacccatg
ggacatggtgttcatgacacgctttcagaacatgttgagaaattccctcccaac[ct]ccaattgtgacttggttga
tggagcgaaagataaacaactggctcaatcatgcaaattacggcttaataccagaagacaggtaaatataatgtgac
tgccaagggcttttaggaagaaggagcctctgcctgtccagcagcctatacaagccaggcagtaccacagcaacatg
gctgaatgtgtgggaacacttgatacaaatttgcttgataataacagctaactgttcttaagtactcagaaagtgaa
attatgtatttc
```

2B.

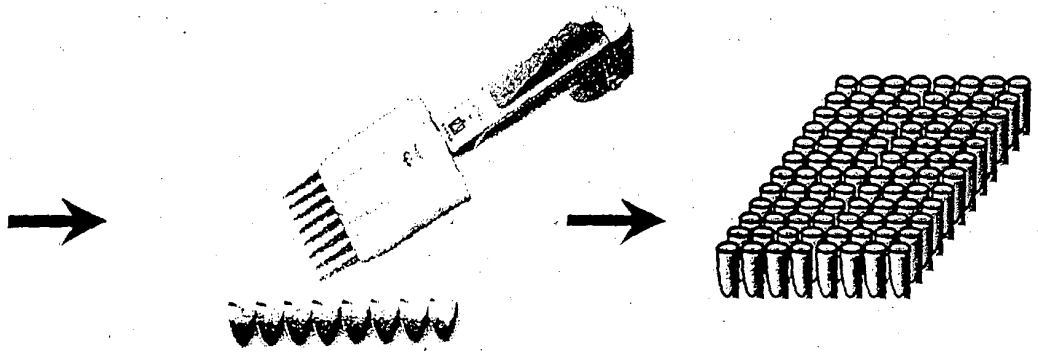
```
29043,FMO1,aagttagaagaaccaagactatcttgtcaggggtgtattttgagagtggcagacttttcagtgcct
ttccattcatgacacttcttgaatctctggcagaaccagccagccgtgttcacagtgtcaaatgaagggatgtcttt
gattgcttccaggtgttcctcagcaccaccggaggggggatgggtgatcagccgaatctttgactcgggctacccatg
ggacatggtgttCATGACACGCTTTCAGAACATGTTGAGAAATTCCCTCCCAAC[ct]CCAATTGTGACTTGGTTGA
TGGAGCGAAAGATAAACAACTGGctcaatcatgcaaattacggcttaataccagaagacaggtaaatataatgtgac
tgccaagggcttttaggaagaaggagcctctgcctgtccagcagcctatacaagccaggcagtaccacagcaacatg
gctgaatgtgtgggaacacttgatacaaatttgcttgataataacagctaactgttcttaagtactcagaaagtgaa
attatgtatttc

      f,cgggctacccatgggaca,59.38      r,tctggtattaagccgtaatttgcatgattga,60
```

Figure 2. Creation of 101 primer sets from sequences available for analysis on the Invader™ *M*edically *A*ssociated *P*anel using Invader ™ Creator Primer Designer v 1.3.3. (A) Sample input file of a single entry. Information includes TWT SNP#, short name identifier, and sequence with the SNP location indicated in brackets. (B) Sample output file of a the same entry. Information includes the sequence of the "Invader footprint" (capital letters flanking SNP site), forward and reverse primer sequences (bold), and their corresponding Tm's.

FIGURE 3

Basic workflow for highly multiplexed PCR using the Invader™ *M*edically *A*ssociated *P*anel (MAP)



Multiplex PCR
(10 ng / template)

Dilute and add directly to Invader™ *M*edically *A*ssociated *P*anel

Incubate at 63°C and read

Analysis of 101-plex PCR using the Invader™ *M*edically *A*ssociated *P*anel

Using primers designed by the *Invader™ Creator Primer Designer v_1.3.3* software, highly multiplexed PCR was carried out *without* prior testing of individual "primer sets" in uniplex PCR. Of the 101 possible amplicons, 94 (~93%) were detected by the Invader™ assay and made the correct call corresponding to genomic typing of the same sample.

FIGURE 4A

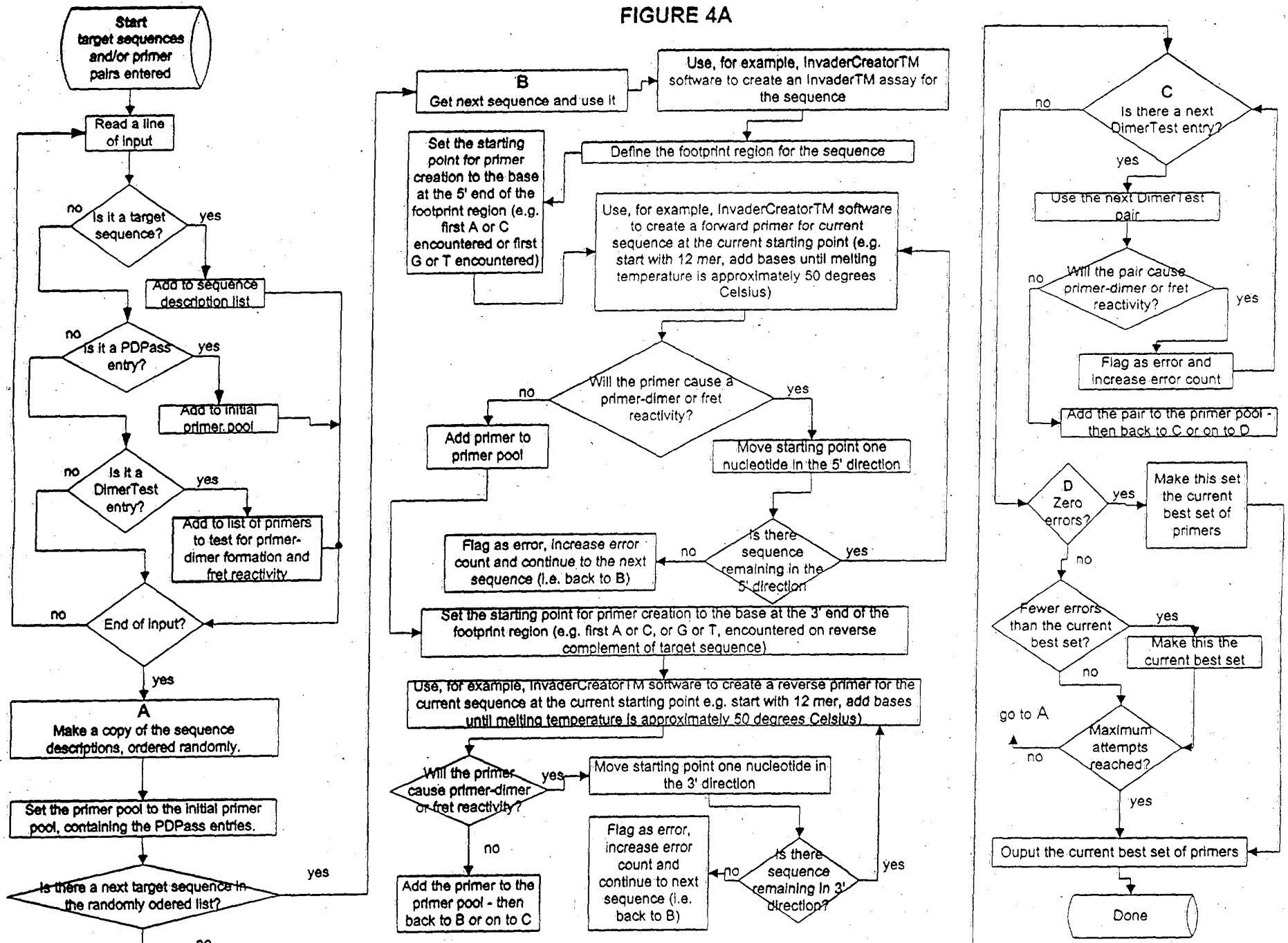

Start target sequences and/or primer pairs entered
Read a line of input
Is it a target sequence?
no
yes
Add to sequence description list
Is it a PDPass entry?
Add to initial primer pool
Is it a DimerTest entry?
Add to list of primers to test for primer-dimer formation and fret reactivity
End of Input?
A
Make a copy of the sequence descriptions, ordered randomly.
Set the primer pool to the initial primer pool, containing the PDPass entries.
Is there a next target sequence in the randomly odered list?
B
Get next sequence and use it
Use, for example, InvaderCreatorTM software to create an InvaderTM assay for the sequence
Define the footprint region for the sequence
Set the starting point for primer creation to the base at the 5' end of the footprint region (e.g. first A or C encountered or first G or T encountered)
Use, for example, InvaderCreatorTM software to create a forward primer for current sequence at the current starting point (e.g. start with 12 mer, add bases until melting temperature is approximately 50 degrees Celsius)
Will the primer cause a primer-dimer or fret reactivity?
Add primer to primer pool
Move starting point one nucleotide in the 5' direction
Is there sequence remaining in the 5' direction
Flag as error, increase error count and continue to the next sequence (i.e. back to B)
Set the starting point for primer creation to the base at the 3' end of the footprint region (e.g. first A or C, or G or T, encountered on reverse complement of target sequence)
Use, for example, InvaderCreatorTM software to create a reverse primer for the current sequence at the current starting point e.g. start with 12 mer, add bases until melting temperature is approximately 50 degrees Celsius)
Will the primer cause primer-dimer or fret reactivity?
Move starting point one nucleotide in the 3' direction
Is there sequence remaining in 3' direction?
Flag as error, increase error count and continue to next sequence (i.e. back to B)
Add the primer to the primer pool - then back to B or on to C
C
Is there a next DimerTest entry?
Use the next DimerTest pair
Will the pair cause primer-dimer or fret reactivity?
Flag as error and increase error count
Add the pair to the primer pool - then back to C or on to D
D
Zero errors?
Make this set the current best set of primers
Fewer errors than the current best set?
Make this the current best set
Maximum attempts reached?
go to A
Ouput the current best set of primers
Done

Figure 5A

CYP2D6 PCR amplification:

Primers:

Triplex PCR protocol

Exons 1 & 2 (2036 nt)

2D6L1F1: 5' – CTGGGCTGGGAGCAGCCTC - 3'
2D6L1R1: 5' – CACTCGCTGGCCTGTTTCATGTC – 3'

Exons 3, 4, 5, & 6 (1683 nt)

2D6L2F: 5' – CTGGAATCCGGTGTCGAAGTGG – 3'
2D6L2R2: 5' – CTCGGCCCCTGCACTGTTTC – 3'

Exons 7, 8, & 9 (1754 nt)

2D6L3F: 5' – GAGGCAAGAAGGAGTGTCAGGG – 3'
2D6L3R5B: 5' – AGTCCTGTGGTGAGGTGACGAGG – 3'

Monoplex PCR protocol

CYP2D6 nucleotides 506 – 856 (*10 & *21)

forward (1221-09-01): 5' – ggtagtgaggcaggt –3'
reverse (1221-09-02): 5' – gcttctggtaggggag – 3'

CYP2D6 nucleotides 1335 – 1616 (*11 & *17)

forward (1221-09-03): 5' – aaataggactaggacctgt –3'
reverse (1221-09-04): 5' – gggtcccacggaaat – 3'

CYP2D6 nucleotides 2092 – 2582 (*4, *6 & *37)

forward (1221-09-05): 5' – catggccacgcg –3'
reverse (1221-09-06): 5' – ccggcacctctcg – 3'

CYP2D6 nucleotides 2977 – 3146 (*3 & *33)

forward (1221-09-07): 5' – ccgtcctcctgcat –3'
reverse (1221-09-08): 5' – cactctcaccttctcca – 3'

Figure 5B

CYP2D6 nucleotides 3294 – 3494 (*2 R296C & *7)

forward (1221-09-09): 5' – gttctgtcccgagtatg –3'
reverse (1221-09-10): 5' – tgcactgtttcccaga – 3'

CYP2D6 nucleotides 3589 – 3918 (*25, *26 & *29)

forward (1221-09-11): 5' – ctgacctcctccaacat –3'
reverse (1221-09-12): 5' – gggctatcaccaggt – 3'

CYP2D6 nucleotides 4316 – 5226 (*2, *27, *31 & *32)

forward (1221-09-13): 5' – ctgacctcctccaacat –3'
reverse (1221-09-15): 5' – gggctatcaccaggt – 3'

Figure 6

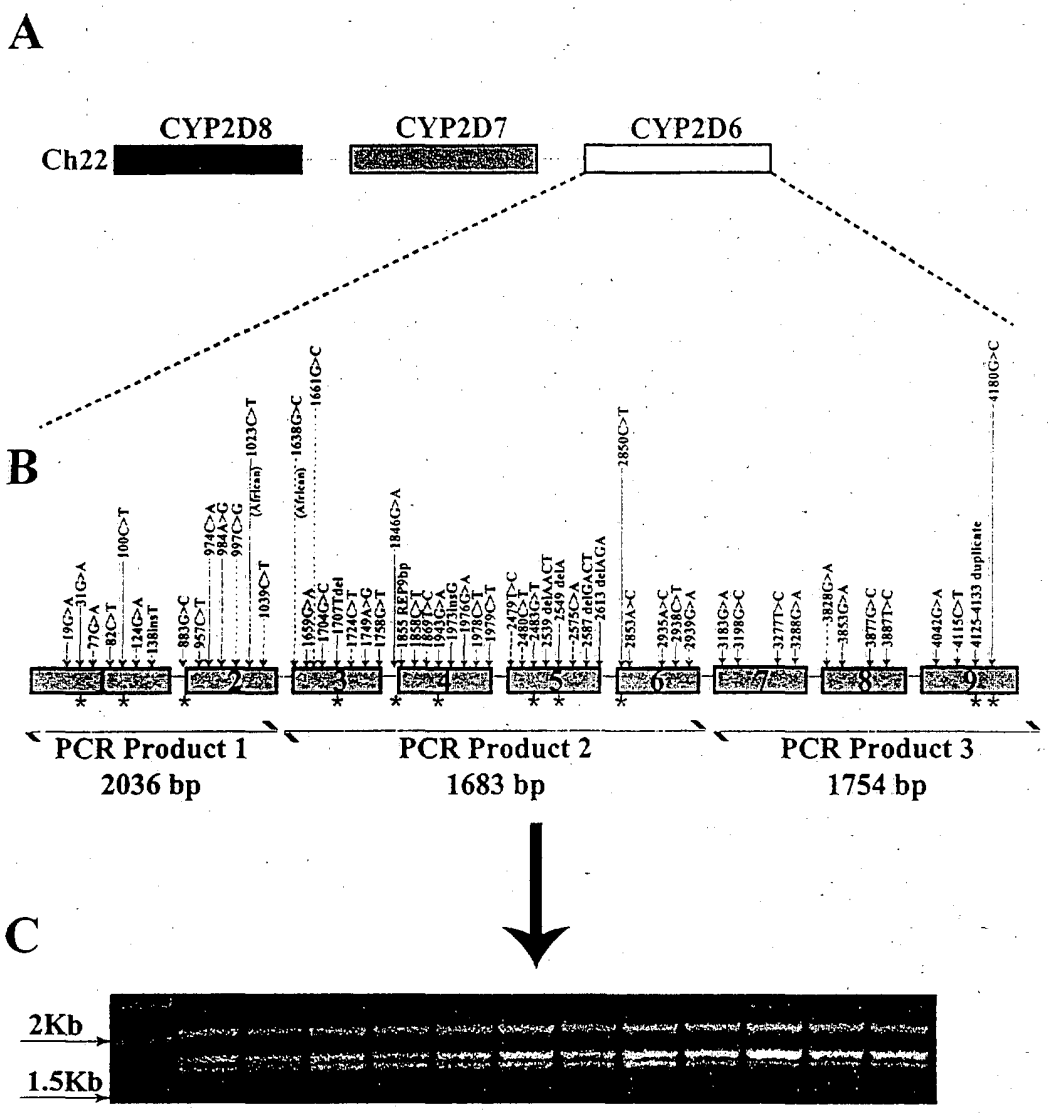

A
CYP2D8
CYP2D7
CYP2D6
Ch22
B
PCR Product 1
2036 bp
PCR Product 2
1683 bp
PCR Product 3
1754 bp
C
2Kb
1.5Kb

Figure 7A

Oligo Locus	Oligo Type	Sequence*	
Triplex PCR 1	PCR sense	CTGGGCTGGGAGCAGCCTC	SEQ ID NO:264
	PCR anti-sense	CACTCGCTGGCCTGTTTCATGTC	SEQ ID NO:265
Triplex PCR 2	PCR sense	CTGGAATCCGGTGTCGAAGTGG	SEQ ID NO:266
	PCR anti-sense	CTCGGCCCCTGCACTGTTTC	SEQ ID NO:267
Triplex PCR 3	PCR sense	GAGGCAAGAAGGAGTGTCAGGG	SEQ ID NO:268
	PCR anti-sense	AGTCCTGTGGTGAGGTGACGAGG	SEQ ID NO:269
CYP2D6-XN (duplication)	PCR sense	GCCACCATGGTGTCTTTGCTTTC	SEQ ID NO:270
	PCR anti-sense	ACCGGATTCCAGCTGGGAAATG	SEQ ID NO:271
CYP2D6*5 (deletion)	PCR sense	ACCGGGCACCTGTACTCCTCA	SEQ ID NO:272
	PCR anti-sense	GCATGAGCTAAGGCACCCAGAC	SEQ ID NO:273
CYP2D6	2D6 Primary Probe	ACGGACGCGGAGTTACAGCACAGGTGC	SEQ ID NO:274
Copy Number assay	Actin Primary Probe	CGCGCCGAGGCAGGTAGTCGGTGAGATC	SEQ ID NO:275
	2D6 Invader oligo	CCCGCGCCACCCACACTGAGCC	SEQ ID NO:276
	Actin Invader oligo	AAGAGTAGCCACGCTCGGTGAGGATCTTCATT	SEQ ID NO:277
CYP2D6*10-100	Invader Oligo	GCAGTGGCAGGGGGCCTGGTGT	SEQ ID NO:278
C>T	Primary Probe 1	ATGACGTGGCAGACGGTAGCGTGCAGC	SEQ ID NO:279
	Primary Probe 2	CGCGCCGAGGAGTAGCGTGCAGCC	SEQ ID NO:280
	Synthetic Target 1	GCTGGGCTGCACGCTACCCACCAGGCCCCCTGCCACTGCCC	SEQ ID NO:281
	Synthetic Target 2	GCTGGGCTGCACGCTACTCACCAGGCCCCCTGCCACTGCCC	SEQ ID NO:282

Figure 7B			
CYP2D6*6-1707	Invader Oligo	CAGGCGGCCTCCTCGGTCACCT	SEQ ID NO:283
T>Deletion	Primary Probe 1	CGCGCCGAGGCACTGCTCCAGCGA	SEQ ID NO:284
	Primary Probe 2	ATGACGTGGCAGACCCTGCTCCAGCGA	SEQ ID NO:285
	Synthetic Target 1	AGAAGTCGCTGGAGCAGTGGGTGACCGAGGAGGCCGCCTGCC	SEQ ID NO:286
	Synthetic Target 2	AGAAGTCGCTGGAGCAGGGGTGACCGAGGAGGCCGCCTGCC	SEQ ID NO:287
CYP2D6*4-1846	Invader Oligo	CCTTACCCGCATCTCCCACCCCCAT	SEQ ID NO:288
G>A	Primary Probe 1	CGCGCCGAGGAGACGCCCCTTTCG	SEQ ID NO:289
	Primary Probe 2	ATGACGTGGCAGACGGACGCCCCTTTCG	SEQ ID NO:290
	Synthetic Target 1	GGGGCGAAAGGGGCGTCTTGGGGGTGGGAGATGCGGGTAAGGGG	SEQ ID NO:291
	Synthetic Target 2	GGGGCGAAAGGGGCGTCCTGGGGGTGGGAGATGCGGGTAAGGGG	SEQ ID NO:292
CYP2D6*3-2549	Invader Oligo	GCTGGGCTGGGTCCCAGGTCATCT	SEQ ID NO:293
A>Deletion	Primary Probe 1	CGCGCCGAGGCTGTGCTCAGTTAGCAG	SEQ ID NO:294
	Primary Probe 2	ATGACGTGGCAGACCGTGCTCAGTTAGCAG	SEQ ID NO:295
	Synthetic Target 1	ATGAGCTGCTAACTGAGCACAGGATGACCTGGGACCCAGCCCAGCCC	SEQ ID NO:296
	Synthetic Target 2	ATGAGCTGCTAACTGAGCACGGATGACCTGGGACCCAGCCCAGCCC	SEQ ID NO:297
CYP2D6*2-2850	Invader Oligo	GGCAGAGAACAGGTCAGCCACCACTATGCT	SEQ ID NO:298
C>T	Primary Probe 1	ATGACGTGGCAGACGCAGGTTCTCATCATTGAA	SEQ ID NO:299
	Primary Probe 2	CGCGCCGAGGACAGGTTCTCATCATTGAAG	SEQ ID NO:300
	Synthetic Target 1	GCAGCTTCAATGATGAGAACCTGCGCATAGTGGTGGCTGACCTGTTCTCTGCC	SEQ ID NO:301
	Synthetic Target 2	GCAGCTTCAATGATGAGAACCTGTGCATAGTGGTGGCTGACCTGTTCTCTGCC	SEQ ID NO:302
CYP2D6*2-4180	Invader Oligo	GCCACCATGGTGTCTTTGCTTTCCTGGTGAT	SEQ ID NO:303
G>C	Primary Probe 1	CGCGCCGAGGCCCCATCCCCCTATG	SEQ ID NO:304
	Primary Probe 2	ATGACGTGGCAGACGCCCATCCCCCTATG	SEQ ID NO:305
	Synthetic Target 1	AGCTCATAGGGGGATGGGGTCACCAGGAAAGCAAAGACACCATGGTGGCTG	SEQ ID NO:306
	Synthetic Target 2	AGCTCATAGGGGGATGGGCTCACCAGGAAAGCAAAGACACCATGGTGGCTG	SEQ ID NO:307

Figure 7C			
CYP2D6*18-4125	Invader Oligo	CCGGGGCTGTCCAGTGGGCAT	SEQ ID NO:308
GTGCCCACT>Duplication	Primary Probe 1	CGCGCCGAGGCAGTGGGCACCGA	SEQ ID NO:309
	Primary Probe 2	ATGACGTGGCAGACCCGAGAAGCTGAAGTG	SEQ ID NO:310
	Synthetic Target 1	GCAGCACTTCAGCTTCTCGGTGCCCACTGTGCCCACTGGACAGCCCCGGCC	SEQ ID NO:311
	Synthetic Target 2	GCAGCACTTCAGCTTCTCGGTGCCCACTGGACAGCCCCGGCC	SEQ ID NO:312
CYP2D6*11-883	Invader Oligo	CCCGAAGCGGCGCCGCAAT	SEQ ID NO:313
G>C	Primary Probe 1	CGCGCCGAGGCTGCAGAGGGAGGG	SEQ ID NO:314
	Primary Probe 2	ATGACGTGGCAGACGTGCAGAGGGAGGG	SEQ ID NO:315
	Synthetic Target 1	CTGACCCTCCCTCTGCAGTTGCGGCGCCGCTTCGGGGA	SEQ ID NO:316
	Synthetic Target 2	CTGACCCTCCCTCTGCACTTGCGGCGCCGCTTCGGGGA	SEQ ID NO:317
CYP2D6*35-31	Invader Oligo	GGCTAGAAGCACTGRTGCCCCTGGCCT	SEQ ID NO:318
G>A	Primary Probe 1	ATGACGTGGCAGACGTGATAGTGGCCATCTTC	SEQ ID NO:319
	Primary Probe 2	CGCGCCGAGGATGATAGTGGCCATCTTC	SEQ ID NO:320
	Synthetic Target 1	GCAGGAAGATGGCCACTATCACGGCCAGGGGCAYCAGTGCTTCTAGCCCC	SEQ ID NO:321
	Synthetic Target 2	GCAGGAAGATGGCCACTATCATGGCCAGGGGCAYCAGTGCTTCTAGCCCC	SEQ ID NO:322
CYP2D6*33-2483	Invader Oligo	AGCCTTTTGGAAGCGTAGGACCTTGCCAGT	SEQ ID NO:323
G>T	Primary Probe 1	ATGACGTGGCAGACCCAGCGCTGGGATA	SEQ ID NO:324
	Primary Probe 2	CGCGCCGAGGACAGCGCTGGGATAT	SEQ ID NO:325
	Synthetic Target 1	CTGCATATCCCAGCGCTGGCTGGCAAGGTCCTACGCTTCCAAAAGGCTTT	SEQ ID NO:326
	Synthetic Target 2	CTGCATATCCCAGCGCTGTCTGGCAAGGTCCTACGCTTCCAAAAGGCTTT	SEQ ID NO:327
CYP2D6*37-1943	Invader Oligo	CTGAGCTAGGTCCAGCAGCCTGAGGAAGA	SEQ ID NO:328
G>A	Primary Probe 1	ATGACGTGGCAGACCGAGGGTCGTCGTAC	SEQ ID NO:329
	Primary Probe 2	CGCGCCGAGGTGAGGGTCGTCGTAC	SEQ ID NO:330
	Synthetic Target 1	TCGAGTACGACGACCCTCGCTTCCTCAGGCTGCTGGACCTAGCTCAGG	SEQ ID NO:331
	Synthetic Target 2	TCGAGTACGACGACCCTCACTTCCTCAGGCTGCTGGACCTAGCTCAGG	SEQ ID NO:332
* Underlined sequence represents the Primary Probe Arm or 'Flap'.			

Figure 8

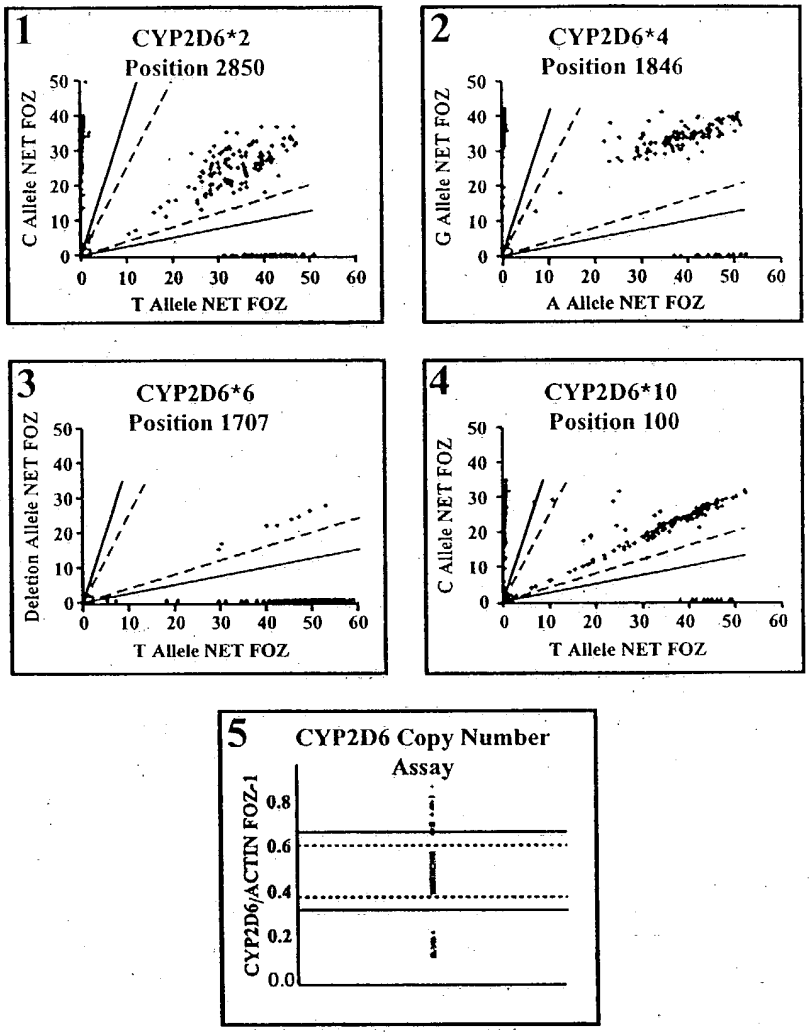

1
CYP2D6*2
Position 2850
C Allele NET FOZ
T Allele NET FOZ
2
CYP2D6*4
Position 1846
G Allele NET FOZ
A Allele NET FOZ
3
CYP2D6*6
Position 1707
Deletion Allele NET FOZ
T Allele NET FOZ
4
CYP2D6*10
Position 100
C Allele NET FOZ
T Allele NET FOZ
5
CYP2D6 Copy Number
Assay
CYP2D6/ACTIN FOZ-1
0.0
0.2
0.4
0.6
0.8

Figure 9

Position	31	100	883	1707	1846	1943	2483	2549	2850	4125-4133	4180
Allele	*35	*10	*11	*6	*4	*37	*33	*3	*2	*18	*2
PCR product	PCR1	PCR1	PCR1	PCR2	PCR2	PCR2	PCR2	PCR2	PCR2	PCR3	PCR3
Polymorphism	G>A	C>T	G>C	T>Del	G>A	G>A	G>T	A>Del	C>T	duplication	G>C
Effect	V11M	P34S	splice defect	frameshift	splice defect	R201H	A237S	frameshift	R296C	468VPT470	S486T
n=	172	171	174	174	173	174	173	172	173	174	173
WT frequency	157	97	174	170	102	174	169	164	89	174	41
HET frequency	14	66	0	4	64	0	4	8	60	0	76
Mut frequency	1	8	0	0	7	0	0	0	24	0	56
Hardy Weinberg	$\chi_2$1.2 (p=0.28)	$\chi_2$0.6 (p=0.44)		$\chi_2$0.0 (p=0.88)	$\chi_2$0.6 (p=0.4)		$\chi_2$0.0 (p=0.88)	$\chi_2$0.1 (p=0.75)	$\chi_2$6.4 (p=0.011)		$\chi_2$2.3 (p=0.13)
Rare allele frequency	4.6	24	0	1.2	22.5	0	1.2	2.3	31.2	0	54.3
EM frequency*	4.6	23.8	0	1.2	22.7		1.2	2.3	31.4	0	54.7
Published Freq	6.70%	18(Asi 16)	0.1	1.8	18(Afr 6.3)	0.1(Afr0.01)	0.6	1.7	34(Asi 18)	Asi 0.7	53(Asi 65)

EM frequency= Allele frequency as generated by the Expectation Maximisation algorythm implemented in the Arlequin genetic software

Figure 10

Haplotype	Freq.	s.d.										
CYP2D6*1	0.401	0.027	G31	C100	G883	INS1707	G1846	G1943	G2483	INS2549	C2850	DEL4125	G4180
CYP2D6*2	0.262	0.024	G31	C100	G883	INS1707	G1846	G1943	G2483	INS2549	T2850	DEL4125	C4180
CYP2D6*4	0.221	0.024	G31	T100	G883	INS1707	A1846	G1943	G2483	INS2549	C2850	DEL4125	C4180
CYP2D6*35	0.047	0.013	A31	C100	G883	INS1707	G1846	G1943	G2483	INS2549	T2850	DEL4125	C4180
CYP2D6*3	0.029	0.012	G31	C100	G883	INS1707	G1846	G1943	G2483	DEL2549	C2850	DEL4125	G4180
CYP2D6*6	0.012	0.007	G31	C100	G883	DEL1707	G1846	G1943	G2483	INS2549	C2850	DEL4125	G4180
CYP2D6*33	0.012	0.007	G31	C100	G883	INS1707	G1846	G1943	T2483	INS2549	C2850	DEL4125	G4180
CYP2D6*10	0.012	0.007	G31	T100	G883	INS1707	G1846	G1943	G2483	INS2549	C2850	DEL4125	C4180
CYP2D6*4k	0.006	0.004	G31	T100	G883	INS1707	A1846	G1943	G2483	INS2549	T2850	DEL4125	C4180

Figure 11

Number of functional Alleles	Compound Haplotype	Number of Subjects
2	*1/*1	31
	*1/*2	26
	*2/*2	15
	*2/*35	8
	*1/*35	3
	*1/*33	3
	*1/*10	2
	*2/*10	1
	*2/*33	1
	*35/*35	1
1	*1/*4	35
	*2/*4	22
	*1/*3	4
	*2/*3	2
	*4/*35	3
	*1/*6	2
	*4/*10	1
	*2/*6	1
0	*4/*4	7
	*3/*4	2
	*4/*6	1

Figure 12A

	SNPName	OligoType	SequenceOligo
SEQ ID NO: 1	CYP2D6*10(188C>T)_AS	Invader oligo	CCAACGCTGGGCTGCACGCTACA
SEQ ID NO: 2	CYP2D6*10(188C>T)_AS	Probe	ACGGACGCGGAGCCACCAGGCCCCV
SEQ ID NO: 3	CYP2D6*10(188C>T)_AS	Probe	CGCGCCGAGGTCACCAGGCCCCV
SEQ ID NO: 4	CYP2D6*10(188C>T)_AS	Target	GCAGGGGGCCTGGTGGGTAGCGTGCAGCCCAGCGTTGGCG
SEQ ID NO: 5	CYP2D6*10(188C>T)_AS	Target	GCAGGGGGCCTGGTGAGTAGCGTGCAGCCCAGCGTTGGCG
SEQ ID NO: 6	CYP2D6*14(1846G>A)_AS	Invader oligo	GCCGCCTTCGCCAACCACTCCT
SEQ ID NO: 7	CYP2D6*14(1846G>A)_AS	Probe	ACGGACGCGGAGGGTGGGTGATGGGV
SEQ ID NO: 8	CYP2D6*14(1846G>A)_AS	Probe	CGCGCCGAGGAGTGGGTGATGGGCV
SEQ ID NO: 9	CYP2D6*14(1846G>A)_AS	Target	TTCTGCCCATCACCCACCGGAGTGGTTGGCGAAGGCGGCAC
SEQ ID NO: 10	CYP2D6*14(1846G>A)_AS	Target	TTCTGCCCATCACCCACTGGAGTGGTTGGCGAAGGCGGCAC
SEQ ID NO: 11	CYP2D6*18(insertion)_S	Invader oligo	CCGGGGCTGTCCAGTGGGCAT
SEQ ID NO: 12	CYP2D6*18(insertion)_S	Probe	CGCGCCGAGGCAGTGGGCACCGAV
SEQ ID NO: 13	CYP2D6*18(insertion)_S	Probe	ACGGACGCGGAGCCGAGAAGCTGAAGTGV
SEQ ID NO: 14	CYP2D6*18(insertion)_S	Target	GCAGCACTTCAGCTTCTCGGTGCCCACTGTGCCCACTGGACAGCCCCGGCC
SEQ ID NO: 15	CYP2D6*18(insertion)_S	Target	GCAGCACTTCAGCTTCTCGGTGCCCACTGGACAGCCCCGGCC
SEQ ID NO: 16	CYP2D6*18(insertion)_AS	Invader oligo	CTCCCTGCTGCAGCACTTCAGCTTCTCT
SEQ ID NO: 17	CYP2D6*18(insertion)_AS	Probe	CGCGCCGAGGGGTGCCCACTGTGV
SEQ ID NO: 18	CYP2D6*18(insertion)_AS	Probe	ACGGACGCGGAGGGTGCCCACTGGAV
SEQ ID NO: 19	CYP2D6*18(insertion)_AS	Target	GCTGTCCAGTGGGCACAGTGGGCACCGAGAAGCTGAAGTGCTGCAGCAGGGAGGT
SEQ ID NO: 20	CYP2D6*18(insertion)_AS	Target	GCTGTCCAGTGGGCACCGAGAAGCTGAAGTGCTGCAGCAGGGAGGT
SEQ ID NO: 21	CYP2D6*2(2938C>T)_AS	Invader oligo	GAACCCTGAGAGCAGCTTCAATGATGAGAACCTGA
SEQ ID NO: 22	CYP2D6*2(2938C>T)_AS	Probe	ACGGACGCGGAGCGCATAGTGGTGGCV
SEQ ID NO: 23	CYP2D6*2(2938C>T)_AS	Probe	CGCGCCGAGGTGCATAGTGGTGGCTV
SEQ ID NO: 24	CYP2D6*2(2938C>T)_AS	Target	GGTCAGCCACCACTATGCGCAGGTTCTCATCATTGAAGCTGCTCTCAGGGTTCCC
SEQ ID NO: 25	CYP2D6*2(2938C>T)_AS	Target	GGTCAGCCACCACTATGCACAGGTTCTCATCATTGAAGCTGCTCTCAGGGTTCCC
SEQ ID NO: 26	CYP2D6*2(4268G>C)_AS	Invader oligo	CCACCATGGTGTCTTTGCTTTCCTGGTGAT
SEQ ID NO: 27	CYP2D6*2(4268G>C)_AS	Probe	ACGGACGCGGAGGCCCATCCCCCTATV

Figure 12B

	SNPName	OligoType	SequenceOligo
SEQ ID NO: 28	CYP2D6*2(4268G>C)_AS	Probe	CGCGCCGAGGCCCCATCCCCCTATV
SEQ ID NO: 29	CYP2D6*2(4268G>C)_AS	Target	GCTCATAGGGGGATGGGCTCACCAGGAAAGCAAAGACACCATGGTGGCT
SEQ ID NO: 30	CYP2D6*2(4268G>C)_AS	Target	GCTCATAGGGGGATGGGGTCACCAGGAAAGCAAAGACACCATGGTGGCT
SEQ ID NO: 31	CYP2D6*3(2637A>del)_AS	Invader oligo	CCCAGCTGGATGAGCTGCTAACTGAGCAT
SEQ ID NO: 32	CYP2D6*3(2637A>del)_AS	Probe	CGCGCCGAGGCAGGATGACCTGGGAV
SEQ ID NO: 33	CYP2D6*3(2637A>del)_AS	Probe	ACGGACGCGGAGCGGATGACCTGGGAV
SEQ ID NO: 34	CYP2D6*3(2637A>del)_AS	Target	CTGGGTCCCAGGTCATCCTGTGCTCAGTTAGCAGCTCATCCAGCTGGGTC
SEQ ID NO: 35	CYP2D6*3(2637A>del)_AS	Target	CTGGGTCCCAGGTCATCCGTGCTCAGTTAGCAGCTCATCCAGCTGGGTC
SEQ ID NO: 36	CYP2D6*4(1934G>A)_AS	Invader oligo	CTTACCCGCATCTCCCACCCCCAT
SEQ ID NO: 37	CYP2D6*4(1934G>A)_AS	Probe	ACGGACGCGGAGGGACGCCCCTTTCV
SEQ ID NO: 38	CYP2D6*4(1934G>A)_AS	Probe	CGCGCCGAGGAGACGCCCCTTTCGV
SEQ ID NO: 39	CYP2D6*4(1934G>A)_AS	Target	GGGGCGAAAGGGGCGTCCTGGGGGTGGGAGATGCGGGTAAGGG
SEQ ID NO: 40	CYP2D6*4(1934G>A)_AS	Target	GGGGCGAAAGGGGCGTCTTGGGGGTGGGAGATGCGGGTAAGGG
SEQ ID NO: 41	CYP2D6*6(1795T>del)_AS	Invader oligo	CCTGGGCAAGAAGTCGCTGGAGCAT
SEQ ID NO: 42	CYP2D6*6(1795T>del)_AS	Probe	CGCGCCGAGGGTGGGTGACCGAGGV
SEQ ID NO: 43	CYP2D6*6(1795T>del)_AS	Probe	ACGGACGCGGAGGGGGTGACCGAGGV
SEQ ID NO: 44	CYP2D6*6(1795T>del)_AS	Target	GGCCTCCTCGGTCACCCACTGCTCCAGCGACTTCTTGCCCAGGCC
SEQ ID NO: 45	CYP2D6*6(1795T>del)_AS	Target	GGCCTCCTCGGTCACCCCTGCTCCAGCGACTTCTTGCCCAGGCC
SEQ ID NO: 46	CYP2D6*7(3023A>C)_AS	Invader oligo	CCTGGGGCCTCCTGCTCATGATCCTACT
SEQ ID NO: 47	CYP2D6*7(3023A>C)_AS	Probe	CGCGCCGAGGATCCGGATGTGCAGV
SEQ ID NO: 48	CYP2D6*7(3023A>C)_AS	Probe	ACGGACGCGGAGCTCCGGATGTGCAGV
SEQ ID NO: 49	CYP2D6*7(3023A>C)_AS	Target	CACGCTGCACATCCGGATGTAGGATCATGAGCAGGAGGCCCCAGGCC
SEQ ID NO: 50	CYP2D6*7(3023A>C)_AS	Target	CACGCTGCACATCCGGAGGTAGGATCATGAGCAGGAGGCCCCAGGCC
SEQ ID NO: 51	CYP2D6*8(1846G>T)_AS	Invader oligo	GCCGCCTTCGCCAACCACTCCC
SEQ ID NO: 52	CYP2D6*8(1846G>T)_AS	Probe	ACGGACGCGGAGGGTGGGTGATGGGV
SEQ ID NO: 53	CYP2D6*8(1846G>T)_AS	Probe	CGCGCCGAGGTGTGGGTGATGGGCV
SEQ ID NO: 54	CYP2D6*8(1846G>T)_AS	Target	TTCTGCCCATCACCCACCGGAGTGGTTGGCGAAGGCGGCAC

Figure 12C

	SNPName	OligoType	SequenceOligo
SEQ ID NO: 55	CYP2D6*8(1846G>T)_AS	Target	TTCTGCCCATCACCCACAGGAGTGGTTGGCGAAGGCGGCAC
SEQ ID NO: 56	2D6*2	Invader oligo	GCCACCATGGTGTCTTTGCTTTCCTGGTGAT
SEQ ID NO: 57	2D6*2	Probe	CGCGCCGAGGCCCCATCCCCCTATGV
SEQ ID NO: 58	2D6*2	Probe	ACGGACGCGGAGGCCCATCCCCCTATV
SEQ ID NO: 59	2D6*2	Target	AGCTCATAGGGGGATGGGGTCACCAGGAAAGCAAAGACACCATGGTGGCTG
SEQ ID NO: 60	2D6*2	Target	AGCTCATAGGGGGATGGGCTCACCAGGAAAGCAAAGACACCATGGTGGCTG
SEQ ID NO: 61	CYP2D6*3_frameshift	Invader oligo	GCTGGGCTGGGTCCCAGGTCATCT
SEQ ID NO: 62	CYP2D6*3_frameshift	Probe	CGCGCCGAGGCTGTGCTCAGTTAGCAGV
SEQ ID NO: 63	CYP2D6*3_frameshift	Probe	ACGGACGCGGAGCGTGCTCAGTTAGCAGV
SEQ ID NO: 64	CYP2D6*3_frameshift	Target	ATGAGCTGCTAACTGAGCACAGGATGACCTGGGACCCAGCCCAGCCC
SEQ ID NO: 65	CYP2D6*3_frameshift	Target	ATGAGCTGCTAACTGAGCACGGATGACCTGGGACCCAGCCCAGCCC
SEQ ID NO: 66	2D6*4	Invader oligo	CCTTACCCGCATCTCCCACCCCCAT
SEQ ID NO: 67	2D6*4	Probe	CGCGCCGAGGAGACGCCCCTTTCGV
SEQ ID NO: 68	2D6*4	Probe	ACGGACGCGGAGGGACGCCCCTTTCV
SEQ ID NO: 69	2D6*4	Target	GGGGCGAAAGGGGCGTCTTGGGGGTGGGAGATGCGGGTAAGGGG
SEQ ID NO: 70	2D6*4	Target	GGGGCGAAAGGGGCGTCCTGGGGGTGGGAGATGCGGGTAAGGGG
SEQ ID NO: 71	2D6*6	Invader oligo	CAGGCGGCCTCCTCGGTCACCT
SEQ ID NO: 72	2D6*6	Probe	CGCGCCGAGGCACTGCTCCAGCGAV
SEQ ID NO: 73	2D6*6	Probe	ACGGACGCGGAGCCTGCTCCAGCGAV
SEQ ID NO: 74	2D6*6	Target	AGAAGTCGCTGGAGCAGTGGGTGACCGAGGAGGCCGCCTGCC
SEQ ID NO: 75	2D6*6	Target	AGAAGTCGCTGGAGCAGGGGTGACCGAGGAGGCCGCCTGCC
SEQ ID NO: 76	2D6*7	Invader oligo	GGGCTCACGCTGCACATCCGGAC
SEQ ID NO: 77	2D6*7	Probe	CGCGCCGAGGTGTAGGATCATGAGCAGGV
SEQ ID NO: 78	2D6*7	Probe	ACGGACGCGGAGGGTAGGATCATGAGCAGV
SEQ ID NO: 79	2D6*7	Target	GCCTCCTGCTCATGATCCTACATCCGGATGTGCAGCGTGAGCCCAT
SEQ ID NO: 80	2D6*7	Target	GCCTCCTGCTCATGATCCTACCTCCGGATGTGCAGCGTGAGCCCAT
SEQ ID NO: 81	CYP2D6_P34S	Invader oligo	GCAGTGGCAGGGGGCCTGGTGT

Figure 12D

	SNPName	OligoType	SequenceOligo
SEQ ID NO: 82	CYP2D6_P34S	Probe	ACGGACGCGGAGGGTAGCGTGCAGCV
SEQ ID NO: 83	CYP2D6_P34S	Probe	CGCGCCGAGGAGTAGCGTGCAGCCV
SEQ ID NO: 84	CYP2D6_P34S	Target	GCTGGGCTGCACGCTACCCACCAGGCCCCCTGCCACTGCCC
SEQ ID NO: 85	CYP2D6_P34S	Target	GCTGGGCTGCACGCTACTCACCAGGCCCCCTGCCACTGCCC
SEQ ID NO: 86	CYP2D6*11_splice	Invader oligo	AGGCCCTGACCCTCCCTCTGCAT
SEQ ID NO: 87	CYP2D6*11_splice	Probe	CGCGCCGAGGGTTGCGGCGCCV
SEQ ID NO: 88	CYP2D6*11_splice	Probe	ACGGACGCGGAGCTTGCGGCGCCV
SEQ ID NO: 89	CYP2D6*11_splice	Target	AAGCGGCGCCGCAACTGCAGAGGGAGGGTCAGGGCCTCT
SEQ ID NO: 90	CYP2D6*11_splice	Target	AAGCGGCGCCGCAAGTGCAGAGGGAGGGTCAGGGCCTCT
SEQ ID NO: 91	CYP2D6_H94R	Invader oligo	CGCGAGGCGCTGGTGACCCT
SEQ ID NO: 92	CYP2D6_H94R	Probe	ACGGACGCGGAGACGGCGAGGACACV
SEQ ID NO: 93	CYP2D6_H94R	Probe	CGCGCCGAGGGCGGCGAGGACAV
SEQ ID NO: 94	CYP2D6_H94R	Target	GGCGGTGTCCTCGCCGTGGGTCACCAGCGCCTCGCGCA
SEQ ID NO: 95	CYP2D6_H94R	Target	GGCGGTGTCCTCGCCGCGGGTCACCAGCGCCTCGCGCA
SEQ ID NO: 96	CYP2D6_1039[CT]	Invader oligo	TGTGCCCATCACCCAGATCCTGGGTTTA
SEQ ID NO: 97	CYP2D6_1039[CT]	Probe	ACGGACGCGGAGCGGGCCGCGTV
SEQ ID NO: 98	CYP2D6_1039[CT]	Probe	CGCGCCGAGGTGGGCCGCGTTV
SEQ ID NO: 99	CYP2D6_1039[CT]	Target	TGGGAACGCGGCCCGAAACCCAGGATCTGGGTGATGGGCACAGG
SEQ ID NO: 100	CYP2D6_1039[CT]	Target	TGGGAACGCGGCCCAAAACCCAGGATCTGGGTGATGGGCACAGG
SEQ ID NO: 101	CYP2D6_1661[GT]	Invader oligo	GCGAGCAGAGGCGCTTCTCCGTT
SEQ ID NO: 102	CYP2D6_1661[GT]	Probe	CGCGCCGAGGGTCCACCTTGCGCV
SEQ ID NO: 103	CYP2D6_1661[GT]	Probe	ACGGACGCGGAGCTCCACCTTGCGCV
SEQ ID NO: 104	CYP2D6_1661[GT]	Target	AGTTGCGCAAGGTGGACACGGAGAAGCGCCTCTGCTCGCGC
SEQ ID NO: 105	CYP2D6_1661[GT]	Target	AGTTGCGCAAGGTGGAGACGGAGAAGCGCCTCTGCTCGCGC
SEQ ID NO: 106	CYP2D6*8_G169X	Invader oligo	TGCCGCCTTCGCCAACCACTCCC
SEQ ID NO: 107	CYP2D6*8_G169X	Probe	ACGGACGCGGAGGGTGGGTGATGGGCV
SEQ ID NO: 108	CYP2D6*8_G169X	Probe	CGCGCCGAGGTGTGGGTGATGGGCV

Figure 12E

	SNPName	OligoType	SequenceOligo
SEQ ID NO: 109	CYP2D6*8_G169X	Target	TTCTGCCCATCACCCACCGGAGTGGTTGGCGAAGGCGGCACA
SEQ ID NO: 110	CYP2D6*8_G169X	Target	TTCTGCCCATCACCCACAGGAGTGGTTGGCGAAGGCGGCACA
SEQ ID NO: 111	CYP2D6_G212E	Invader oligo	CAGGCTGCTGGACCTAGCTCAGGAGGT
SEQ ID NO: 112	CYP2D6_G212E	Probe	CGCGCCGAGGGACTGAAGGAGGAGTCGV
SEQ ID NO: 113	CYP2D6_G212E	Probe	ACGGACGCGGAGAACTGAAGGAGGAGTCGV
SEQ ID NO: 114	CYP2D6_G212E	Target	AGCCCGACTCCTCCTTCAGTCCCTCCTGAGCTAGGTCCAGCAGCCTGAG
SEQ ID NO: 115	CYP2D6_G212E	Target	AGCCCGACTCCTCCTTCAGTTCCTCCTGAGCTAGGTCCAGCAGCCTGAG
SEQ ID NO: 116	CYP2D6*9_K281del	Invader oligo	CCTGACTGAGGCCTTCCTGGCAGAGATGT
SEQ ID NO: 117	CYP2D6*9_K281del	Probe	CGCGCCGAGGGAGAAGGTGAGAGTGGCV
SEQ ID NO: 118	CYP2D6*9_K281del	Probe	ACGGACGCGGAGGAGGTGAGAGTGGCTV
SEQ ID NO: 119	CYP2D6*9_K281del	Target	CGTGGCAGCCACTCTCACCTTCTCCATCTCTGCCAGGAAGGCCTCAGTCAGGTC
SEQ ID NO: 120	CYP2D6*9_K281del	Target	CGTGGCAGCCACTCTCACCTCCATCTCTGCCAGGAAGGCCTCAGTCAGGTC
SEQ ID NO: 121	CYP2D6_R296C	Invader oligo	GAACCCTGAGAGCAGCTTCAATGATGAGAACCTGA
SEQ ID NO: 122	CYP2D6_R296C	Probe	CGCGCCGAGGCGCATAGTGGTGGCV
SEQ ID NO: 123	CYP2D6_R296C	Probe	ACGGACGCGGAGTGCATAGTGGTGGCTV
SEQ ID NO: 124	CYP2D6_R296C	Target	GGTCAGCCACCACTATGCGCAGGTTCTCATCATTGAAGCTGCTCTCAGGGTTCCC
SEQ ID NO: 125	CYP2D6_R296C	Target	GGTCAGCCACCACTATGCACAGGTTCTCATCATTGAAGCTGCTCTCAGGGTTCCC
SEQ ID NO: 126	CYP2D6_L421P	Invader oligo	CTTCCGCTTCCACCCCGAACACTTCCA
SEQ ID NO: 127	CYP2D6_L421P	Probe	ACGGACGCGGAGTGGATGCCCAGGGV
SEQ ID NO: 128	CYP2D6_L421P	Probe	CGCGCCGAGGCGGATGCCCAGGGV
SEQ ID NO: 129	CYP2D6_L421P	Target	GTGGCCCTGGGCATCCAGGAAGTGTTCGGGGTGGAAGCGGAAGGG
SEQ ID NO: 130	CYP2D6_L421P	Target	GTGGCCCTGGGCATCCGGGAAGTGTTCGGGGTGGAAGCGGAAGGG
SEQ ID NO: 131	CYP2D6_1661[GT]	Invader oligo	AGGCCCAAGTTGCGCAAGGTGGAT
SEQ ID NO: 132	CYP2D6_1661[GT]	Probe	CGCGCCGAGGCACGGAGAAGCGCV
SEQ ID NO: 133	CYP2D6_1661[GT]	Probe	ACGGACGCGGAGGACGGAGAAGCGCV
SEQ ID NO: 134	CYP2D6_1661[GT]	Target	AGAGGCGCTTCTCCGTGTCCACCTTGCGCAACTTGGGCCTGG
SEQ ID NO: 135	CYP2D6_1661[GT]	Target	AGAGGCGCTTCTCCGTCTCCACCTTGCGCAACTTGGGCCTGG

Figure 12F

	SNPName	OligoType	SequenceOligo
SEQ ID NO: 136	CYP2D6*11_splice_S	Invader oligo	CCCGAAGCGGCGCCGCAAT
SEQ ID NO: 137	CYP2D6*11_splice_S	Probe	CGCGCCGAGGCTGCAGAGGGAGGGV
SEQ ID NO: 138	CYP2D6*11_splice_S	Probe	ACGGACGCGGAGGTGCAGAGGGAGGGV
SEQ ID NO: 139	CYP2D6*11_splice_S	Target	CTGACCCTCCCTCTGCAGTTGCGGCGCCGCTTCGGGGA
SEQ ID NO: 140	CYP2D6*11_splice_S	Target	CTGACCCTCCCTCTGCACTTGCGGCGCCGCTTCGGGGA
SEQ ID NO: 141	CYP2D6_H94R_S	Invader oligo	GGTCGGCGGTGTCCTCGCCGA
SEQ ID NO: 142	CYP2D6_H94R_S	Probe	ACGGACGCGGAGTGGGTCACCAGCGV
SEQ ID NO: 143	CYP2D6_H94R_S	Probe	CGCGCCGAGGCGGGTCACCAGCGV
SEQ ID NO: 144	CYP2D6_H94R_S	Target	GAGGCGCTGGTGACCCACGGCGAGGACACCGCCGACCGC
SEQ ID NO: 145	CYP2D6_H94R_S	Target	GAGGCGCTGGTGACCCGCGGCGAGGACACCGCCGACCGC
SEQ ID NO: 146	CYP2D6_1039[CT]_S	Invader oligo	CTTGCCTTGGGAACGCGGCCCT
SEQ ID NO: 147	CYP2D6_1039[CT]_S	Probe	CGCGCCGAGGGAAACCCAGGATCTGGV
SEQ ID NO: 148	CYP2D6_1039[CT]_S	Probe	ACGGACGCGGAGAAAACCCAGGATCTGGV
SEQ ID NO: 149	CYP2D6_1039[CT]_S	Target	TCACCCAGATCCTGGGTTTCGGGCCGCGTTCCCAAGGCAAGCA
SEQ ID NO: 150	CYP2D6_1039[CT]_S	Target	TCACCCAGATCCTGGGTTTTGGGCCGCGTTCCCAAGGCAAGCA
SEQ ID NO: 151	CYP2D6*8_G169X_S	Invader oligo	CTTTGTGCCCTTCTGCCCATCACCCACT
SEQ ID NO: 152	CYP2D6*8_G169X_S	Probe	CGCGCCGAGGCGGAGTGGTTGGCV
SEQ ID NO: 153	CYP2D6*8_G169X_S	Probe	ACGGACGCGGAGAGGAGTGGTTGGCGV
SEQ ID NO: 154	CYP2D6*8_G169X_S	Target	CCTTCGCCAACCACTCCGGTGGGTGATGGGCAGAAGGGCACAAAGCG
SEQ ID NO: 155	CYP2D6*8_G169X_S	Target	CCTTCGCCAACCACTCCTGTGGGTGATGGGCAGAAGGGCACAAAGCG
SEQ ID NO: 156	CYP2D6_G212E_S	Invader oligo	CGCAGAAAGCCCGACTCCTCCTTCAGTA
SEQ ID NO: 157	CYP2D6_G212E_S	Probe	ACGGACGCGGAGCCCTCCTGAGCTAGGV
SEQ ID NO: 158	CYP2D6_G212E_S	Probe	CGCGCCGAGGTCCTCCTGAGCTAGGTV
SEQ ID NO: 159	CYP2D6_G212E_S	Target	CTGGACCTAGCTCAGGAGGGACTGAAGGAGGAGTCGGGCTTTCTGCGCG
SEQ ID NO: 160	CYP2D6_G212E_S	Target	CTGGACCTAGCTCAGGAGGAACTGAAGGAGGAGTCGGGCTTTCTGCGCG
SEQ ID NO: 161	CYP2D6*9_K281del_S	Invader oligo	CCACCGTGGCAGCCACTCTCACCC
SEQ ID NO: 162	CYP2D6*9_K281del_S	Probe	CGCGCCGAGGTTCTCCATCTCTGCCAV

Figure 12G

	SNP Name	Oligo Type	Sequence Oligo
SEQ ID NO: 163	CYP2D6*9_K281del_S	Probe	ACGGACGCGGAGTCCATCTCTGCCAGGV
SEQ ID NO: 164	CYP2D6*9_K281del_S	Target	GCCTTCCTGGCAGAGATGGAGAAGGTGAGAGTGGCTGCCACGGTGGGG
SEQ ID NO: 165	CYP2D6*9_K281del_S	Target	GCCTTCCTGGCAGAGATGGAGGTGAGAGTGGCTGCCACGGTGGGG
SEQ ID NO: 166	CYP2D6_R296C_S	Invader oligo	GGCAGAGAACAGGTCAGCCACCACTATGCT
SEQ ID NO: 167	CYP2D6_R296C_S	Probe	CGCGCCGAGGGCAGGTTCTCATCATTGAV
SEQ ID NO: 168	CYP2D6_R296C_S	Probe	ACGGACGCGGAGACAGGTTCTCATCATTGAAGV
SEQ ID NO: 169	CYP2D6_R296C_S	Target	GCAGCTTCAATGATGAGAACCTGCGCATAGTGGTGGCTGACCTGTTCTCTGCCGG
SEQ ID NO: 170	CYP2D6_R296C_S	Target	GCAGCTTCAATGATGAGAACCTGTGCATAGTGGTGGCTGACCTGTTCTCTGCCGG
SEQ ID NO: 171	CYP2D6_L421P_S	Invader oligo	GCTTCACAAAGTGGCCCTGGGCATCCT
SEQ ID NO: 172	CYP2D6_L421P_S	Probe	CGCGCCGAGGAGGAAGTGTTCGGGGV
SEQ ID NO: 173	CYP2D6_L421P_S	Probe	ACGGACGCGGAGGGGAAGTGTTCGGGV
SEQ ID NO: 174	CYP2D6_L421P_S	Target	TCCACCCCGAACACTTCCTGGATGCCCAGGGCCACTTTGTGAAGCCG
SEQ ID NO: 175	CYP2D6_L421P_S	Target	TCCACCCCGAACACTTCCCGGATGCCCAGGGCCACTTTGTGAAGCCG
SEQ ID NO: 176	CYP2D6_1661[GC]_S	Invader oligo	AGGCCCAAGTTGCGCAAGGTGGAT
SEQ ID NO: 177	CYP2D6_1661[GC]_S	Probe	ACGGACGCGGAGCAYGGAGAAGCGCCTV
SEQ ID NO: 178	CYP2D6_1661[GC]_S	Probe	CGCGCCGAGGGAYGGAGAAGCGCCTV
SEQ ID NO: 179	CYP2D6_1661[GC]_S	Target	GCAGAGGCGCTTCTCCRTGTCCACCTTGCGCAACTTGGGCCTGG
SEQ ID NO: 180	CYP2D6_1661[GC]_S	Target	GCAGAGGCGCTTCTCCRTCTCCACCTTGCGCAACTTGGGCCTGG
SEQ ID NO: 181	CYP2D6_1661[GC]_AS	Invader oligo	GCGCGAGCAGAGGCGCTTCTCCRTT
SEQ ID NO: 182	CYP2D6_1661[GC]_AS	Probe	CGCGCCGAGGGTCCACCTTGCGCV
SEQ ID NO: 183	CYP2D6_1661[GC]_AS	Probe	ACGGACGCGGAGCTCCACCTTGCGCV
SEQ ID NO: 184	CYP2D6_1661[GC]_AS	Target	AGTTGCGCAAGGTGGACAYGGAGAAGCGCCTCTGCTCGCGCCA
SEQ ID NO: 185	CYP2D6_1661[GC]_AS	Target	AGTTGCGCAAGGTGGAGAYGGAGAAGCGCCTCTGCTCGCGCCA
SEQ ID NO: 186	CYP2D6*8_G169X_S	Invader oligo	CTTTGTGCCCTTCTGCCCATCACCCACT
SEQ ID NO: 187	CYP2D6*8_G169X_S	Probe	ACGGACGCGGAGCGGAGTGGTYGGCGV
SEQ ID NO: 188	CYP2D6*8_G169X_S	Probe	CGCGCCGAGGAGGAGTGGTYGGCGAV
SEQ ID NO: 189	CYP2D6*8_G169X_S	Target	GCCTTCGCCRACCACTCCGGTGGGTGATGGGCAGAAGGGCACAAAGCG

Figure 12H

	SNPName	OligoType	SequenceOligo
SEQ ID NO: 190	CYP2D6*8_G169X_S	Target	GCCTTCGCCRACCACTCCTGTGGGTGATGGGCAGAAGGGCACAAAGCG
SEQ ID NO: 191	CYP2D6*8_G169XA_S	Invader oligo	CTTTGTGCCCTTCTGCCCATCACCCACA
SEQ ID NO: 192	CYP2D6*8_G169XA_S	Probe	CGCGCCGAGGCGGAGTGGTYGGCGV
SEQ ID NO: 193	CYP2D6*8_G169XA_S	Probe	ACGGACGCGGAGTGGAGTGGTYGGCGV
SEQ ID NO: 194	CYP2D6*8_G169XA_S	Target	CCTTCGCCRACCACTCCGGTGGGTGATGGGCAGAAGGGCACAAAGCG
SEQ ID NO: 195	CYP2D6*8_G169XA_S	Target	CCTTCGCCRACCACTCCAGTGGGTGATGGGCAGAAGGGCACAAAGCG
SEQ ID NO: 196	CYP2D6*8_G169XA_AS	Invader oligo	GTGCCGCCTTCGCCRACCACTCCT
SEQ ID NO: 197	CYP2D6*8_G169XA_AS	Probe	ACGGACGCGGAGGGTGGGTGATGGGCV
SEQ ID NO: 198	CYP2D6*8_G169XA_AS	Probe	CGCGCCGAGGAGTGGGTGATGGGCV
SEQ ID NO: 199	CYP2D6*8_G169XA_AS	Target	TTCTGCCCATCACCCACCGGAGTGGTYGGCGAAGGCGGCACAA
SEQ ID NO: 200	CYP2D6*8_G169XA_AS	Target	TTCTGCCCATCACCCACTGGAGTGGTYGGCGAAGGCGGCACAA
SEQ ID NO: 201	CYP2D6*17_T107I_S	Invader oligo	CGCGGCCCRAAACCCAGGATCTGGT
SEQ ID NO: 202	CYP2D6*17_T107I_S	Probe	ACGGACGCGGAGGTGATGGGCACAGGV
SEQ ID NO: 203	CYP2D6*17_T107I_S	Probe	CGCGCCGAGGATGATGGGCACAGGCV
SEQ ID NO: 204	CYP2D6*17_T107I_S	Target	GCCCGCCTGTGCCCATCACCCAGATCCTGGGTTTYGGGCCGCGTT
SEQ ID NO: 205	CYP2D6*17_T107I_S	Target	GCCCGCCTGTGCCCATCATCCAGATCCTGGGTTTYGGGCCGCGTT
SEQ ID NO: 206	CYP2D6*17_T107I_AS	Invader oligo	CGCCCGCCTGTGCCCATCAA
SEQ ID NO: 207	CYP2D6*17_T107I_AS	Probe	CGCGCCGAGGCCCAGATCCTGGGTTV
SEQ ID NO: 208	CYP2D6*17_T107I_AS	Probe	ACGGACGCGGAGTCCAGATCCTGGGTTTYV
SEQ ID NO: 209	CYP2D6*17_T107I_AS	Target	GCCCRAAACCCAGGATCTGGGTGATGGGCACAGGCGGGCGGT
SEQ ID NO: 210	CYP2D6*17_T107I_AS	Target	GCCCRAAACCCAGGATCTGGATGATGGGCACAGGCGGGCGGT
SEQ ID NO: 211	CYP2D6_R296C_S	Invader oligo	GAACCCTGAGAGCAGCTTCAATGATGAGAACCTGA
SEQ ID NO: 212	CYP2D6_R296C_S	Probe	CGCGCCGAGGCGCMTAGTGGTGGCTV
SEQ ID NO: 213	CYP2D6_R296C_S	Probe	ACGGACGCGGAGTGCMTAGTGGTGGCTGV
SEQ ID NO: 214	CYP2D6_R296C_S	Target	AGGTCAGCCACCACTAKGCGCAGGTTCTCATCATTGAAGCTGCTCTCAGGGTTCCC
SEQ ID NO: 215	CYP2D6_R296C_S	Target	AGGTCAGCCACCACTAKGCACAGGTTCTCATCATTGAAGCTGCTCTCAGGGTTCCC
SEQ ID NO: 216	CYP2D6_R296C_S	Invader oligo	GGCAGAGAACAGGTCAGCCACCACTAKGCT

Figure 12I

	SNPName	OligoType	SequenceOligo
SEQ ID NO: 217	CYP2D6_R296C_S	Probe	ACGGACGCGGAGGCAGGTTCTCATCATTGAV
SEQ ID NO: 218	CYP2D6_R296C_S	Probe	CGCGCCGAGGACAGGTTCTCATCATTGAAGV
SEQ ID NO: 219	CYP2D6_R296C_S	Target	GCAGCTTCAATGATGAGAACCTGCGCMTAGTGGTGGCTGACCTGTTCTCTGCCGG
SEQ ID NO: 220	CYP2D6_R296C_S	Target	GCAGCTTCAATGATGAGAACCTGTGCMTAGTGGTGGCTGACCTGTTCTCTGCCGG
SEQ ID NO: 221	CYP2D6*2B	Invader oligo	GGCAGAGAACAGGTCAGCCACCACTAKGCT
SEQ ID NO: 222	CYP2D6*2B	Probe	ACGGACGCGGAGGCAGGTTCTCATCATTGAV
SEQ ID NO: 223	CYP2D6*2B	Probe	CGCGCCGAGGACAGGTTCTCATCATTGAAGV
SEQ ID NO: 224	CYP2D6*2B	Target	GCAGCTTCAATGATGAGAACCTGCGCMTAGTGGTGGCTGACCTGTTCTCTGCCGG
SEQ ID NO: 225	CYP2D6*2B	Target	GCAGCTTCAATGATGAGAACCTGTGCMTAGTGGTGGCTGACCTGTTCTCTGCCGG
SEQ ID NO: 226	CYP2D6_R296C_AS	Invader oligo	GAACCCTGAGAGCAGCTTCAATGATGAGAACCTGA
SEQ ID NO: 227	CYP2D6_R296C_AS	Probe	ACGGACGCGGAGCGCMTAGTGGTGGCTV
SEQ ID NO: 228	CYP2D6_R296C_AS	Probe	CGCGCCGAGGTGCMTAGTGGTGGCTGV
SEQ ID NO: 229	CYP2D6_R296C_AS	Target	AGGTCAGCCACCACTAKGCGCAGGTTCTCATCATTGAAGCTGCTCTCAGGGTTCCC
SEQ ID NO: 230	CYP2D6_R296C_AS	Target	AGGTCAGCCACCACTAKGCACAGGTTCTCATCATTGAAGCTGCTCTCAGGGTTCCC
SEQ ID NO: 231	CYP2D6_H94R_S	Invader oligo	CGGTCGGCSGTGTCCTCGCCGA
SEQ ID NO: 232	CYP2D6_H94R_S	Probe	ACGGACGCGGAGTGGGTCACCAKCGCV
SEQ ID NO: 233	CYP2D6_H94R_S	Probe	CGCGCCGAGGCGGGTCACCAKCGCV
SEQ ID NO: 234	CYP2D6_H94R_S	Target	CGAGGCGMTGGTGACCCACGGCGAGGACACSGCCGACCGCC
SEQ ID NO: 235	CYP2D6_H94R_S	Target	CGAGGCGMTGGTGACCCGCGGCGAGGACACSGCCGACCGCC
SEQ ID NO: 236			gcaagaaggagtgtcaggg
SEQ ID NO: 237			aaggctttgcaggcttca
SEQ ID NO: 238			gaatccggtgtcgaagtgg
SEQ ID NO: 239			ctgtggtgaggtgacgagg
SEQ ID NO: 240			GCTCGGACTACGGTCATCA
SEQ ID NO: 241			ggcccctgcactgtttc
SEQ ID NO: 242		FRET probe (FAM)	Y-tct-X-agc-cgg-ttt-tcc-ggc-tga-gac-ctc-ggc-gcg-hex
SEQ ID NO: 243		FRET probe (RED)	Y-tct-X-agc-cgg-ttt-tcc-ggc-tga-gac-tcc-gcg-tcc-gt-hex

Figure 12J

	SNPName	OligoType	SequenceOligo
SEQ ID NO: 244	CYP2D6*3	Invader oligo	CCCAGCTGGATGAGCTGCTAACTGAGCAT
SEQ ID NO: 245		Probe	ATGACGTGGCAGACCAGGATGACCTGGGAV
SEQ ID NO: 246		Probe	CGCGCCGAGGCGGATGACCTGGGAV
SEQ ID NO: 247		Target	CTGGGTCCCAGGTCATCCTGTGCTCAGTTAGCAGCTCATCCAGCTGGGTC
SEQ ID NO: 248		Target	GCTGGGTCCCAGGTCATCCGTGCTCAGTTAGCAGCTCATCCAGCTGGGTC
SEQ ID NO: 249	CYP2D6*4	Invader oligo	CCGTTGGGGCGAAAGGGGCGTCA
SEQ ID NO: 250		Probe	ACGGACGCGGAGTTGGGGGTGGGAGAV
SEQ ID NO: 251		Probe	ATGACGTGGCAGACCTGGGGGTGGGAGV
SEQ ID NO: 252		Target	CGCATCTCCCACCCCCAAGACGCCCCTTTCGCCCCAACGGTC
SEQ ID NO: 253		Target	CGCATCTCCCACCCCCAGGACGCCCCTTTCGCCCCAACGGTC
SEQ ID NO: 254	alpha actin (used with 2D6*3)	Invader oligo	ccatccagggaagagtggcctgttt
SEQ ID NO: 255		Probe	acggacgcggagaggaaccctgtgacat
SEQ ID NO: 256		Target	tttgaaatgtcacagggttcctaacaggccactcttccctggatggg
SEQ ID NO: 257	alpha actin (used with 2D6*4)	Invader oligo	aggagtagccacgctcggtgaggatcttcatt
SEQ ID NO: 258		Probe	CGCGCCGAGGcaggtagtcggtgagat
SEQ ID NO: 259		Target	cgcgatctcaccgactacctgatgaagatcctcaccgagcgtggctactccttc
SEQ ID NO: 260	CYP2D6*5	Invader oligo	5'-CCCGCGCCACCCACACTGAGCC
SEQ ID NO: 261		Probe	5'-ACGGACGCGGAGTTACAGCACAGGTGC
SEQ ID NO: 262		FRET probe (FAM)	Y-tct-X-agc-cgg-ttt-tcc-ggc-tga-gag-tct-gcc-acg-tca-t-hex

FIGURE 13

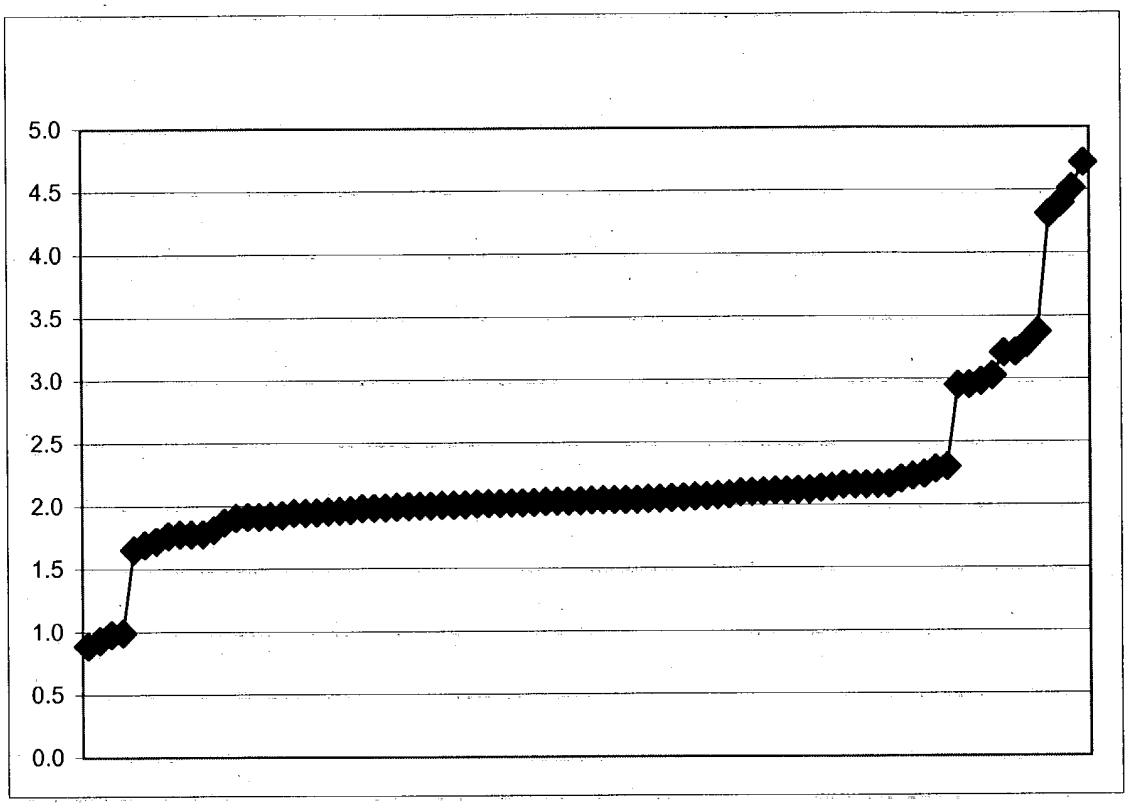


FIGURE 14

Primer Name	Sequence	Size	Oligo TM	Amplicon Size
primer pair 1	AAG GCT TTG CAG GCT TCA	18 bases	64.3	
primer pair 1	GCT CGG ACT ACG GTC ATC A	19 bases	65.3	1460 bp
primer pair 2	TGG AAT CCG GTG TCG AAG	18 bases	63.4	
primer pair 2	GAA ATC TCT GAC GTG GAT AG	20 bases	58.8	942 bp
primer pair 3	GTA CCT CCT ATC CAC GTC A	19 bases	61.7	
primer pair 3	CAC TCC TTC TTG CCT CCT A	19 bases	62.2	866 bp
primer pair 4	GCA AGA AGG AGT GTC AGG G	19 bases	64.1	
primer pair 4	CTG TGG TGA GGT GAC GAG G	19 bases	66.1	1748 bp

FIGURE 15

SNP Name	Nucleotide position/ change	Oligo Type	Dye	Poly-morphism	Assay Oligo Sequence
CYP2D6_S486T	4180G>C	Invader	NONE		GCCACCATGGTGTCTTTGCTTTCCTGGTGAT
CYP2D6_S486T	4180G>C	Probe	FAM	C	CGCGCCGAGGCCCCATCCCCCTATGV
CYP2D6_S486T	4180G>C	Probe	RED	G	ACGGACGCGGAGGCCCATCCCCCTATV
CYP2D6_S486T	4180G>C	Target	FAM	C	AGCTCATAGGGGGATGGGGTCACCAGGAAAGCAAAGACACCATGGTGGCTG
CYP2D6_S486T	4180G>C	Target	RED	G	AGCTCATAGGGGGATGGGCTCACCAGGAAAGCAAAGACACCATGGTGGCTG
CYP2D6_1846G>A	1846G>A	Invader	NONE		CCTTACCCGCATCTCCCACCCCCAT
CYP2D6_1846G>A	1846G>A	Probe	FAM	A	CGCGCCGAGGAGACGCCCCTTTCGV
CYP2D6_1846G>A	1846G>A	Probe	RED	G	ACGGACGCGGAGGGACGCCCCTTTCV
CYP2D6_1846G>A	1846G>A	Target	FAM	A	GGGGCGAAAGGGGCGTCTTGGGGGTGGGAGATGCGGGTAAGGGG
CYP2D6_1846G>A	1846G>A	Target	RED	G	GGGGCGAAAGGGGCGTCCTGGGGGTGGGAGATGCGGGTAAGGGG
CYP2D6_H324P	2935A>C	Invader	NONE		GGGCTCACGCTGCACATCCGGAC
CYP2D6_H324P	2935A>C	Probe	FAM	A	CGCGCCGAGGTGTAGGATCATGAGCAGGV
CYP2D6_H324P	2935A>C	Probe	RED	C	ACGGACGCGGAGGGTAGGATCATGAGCAGV
CYP2D6_H324P	2935A>C	Target	FAM	A	GCCTCCTGCTCATGATCCTACATCCGGATGTGCAGCGTGAGCCCAT
CYP2D6_H324P	2935A>C	Target	RED	C	GCCTCCTGCTCATGATCCTACCTCCGGATGTGCAGCGTGAGCCCAT
CYP2D6_P34S	100C>T	Invader	NONE		GCAGTGGCAGGGGGCCTGGTGT
CYP2D6_P34S	100C>T	Probe	RED	C	ACGGACGCGGAGGGTAGCGTGCAGCV
CYP2D6_P34S	100C>T	Probe	FAM	T	CGCGCCGAGGAGTAGCGTGCAGCCV
CYP2D6_P34S	100C>T	Target	RED	C	GCTGGGCTGCACGCTACCCACCAGGCCCCCTGCCACTGCCC
CYP2D6_P34S	100C>T	Target	FAM	T	GCTGGGCTGCACGCTACTCACCAGGCCCCCTGCCACTGCCC
CYP2D6_883G>C	883G>C	Invader	NONE		AGGCCCTGACCCTCCCTCTGCAT
CYP2D6_883G>C	883G>C	Probe	FAM	G	CGCGCCGAGGGTTGCGGCGCCV
CYP2D6_883G>C	883G>C	Probe	RED	C	ACGGACGCGGAGCTTGCGGCGCCV
CYP2D6_883G>C	883G>C	Target	FAM	G	AAGCGGCGCCGCAACTGCAGAGGGAGGGTCAGGGCCTCT
CYP2D6_883G>C	883G>C	Target	RED	C	AAGCGGCGCCGCAAGTGCAGAGGGAGGGTCAGGGCCTCT
CYP2D6_1661G>C	1661G>C	Invader	NONE		GCGAGCAGAGGCGCTTCTCCGTT
CYP2D6_1661G>C	1661G>C	Probe	FAM	G	CGCGCCGAGGGTCCACCTTGCGCV
CYP2D6_1661G>C	1661G>C	Probe	RED	C	ACGGACGCGGAGCTCCACCTTGCGCV
CYP2D6_1661G>C	1661G>C	Target	FAM	G	AGTTGCGCAAGGTGGACACGGAGAAGCGCCTCTGCTCGCGC
CYP2D6_1661G>C	1661G>C	Target	RED	C	AGTTGCGCAAGGTGGAGACGGAGAAGCGCCTCTGCTCGCGC
CYP2D6_L421P	3887T>C	Invader	NONE		GCTTCACAAAGTGGCCCTGGGCATCCT
CYP2D6_L421P	3887T>C	Probe	FAM	T	CGCGCCGAGGAGGAAGTGTTCGGGGV
CYP2D6_L421P	3887T>C	Probe	RED	C	ACGGACGCGGAGGGGAAGTGTTCGGGV
CYP2D6_L421P	3887T>C	Target	FAM	T	TCCACCCCGAACACTTCCTGGATGCCCAGGGCCACTTTGTGAAGCCG
CYP2D6_L421P	3887T>C	Target	RED	C	TCCACCCCGAACACTTCCCGGATGCCCAGGGCCACTTTGTGAAGCCG
CYP2D6_T107I	1023C>T	Invader	NONE		CGCCCGCCTGTGCCCATCAA
CYP2D6_T107I	1023C>T	Probe	FAM	C	CGCGCCGAGGCCCAGATCCTGGGTTV
CYP2D6_T107I	1023C>T	Probe	RED	T	ACGGACGCGGAGTCCAGATCCTGGGTTTYV
CYP2D6_T107I	1023C>T	Target	FAM	C	GCCCRAAACCCAGGATCTGGGTGATGGGCACAGGCGGGCGGT
CYP2D6_T107I	1023C>T	Target	RED	T	GCCCRAAACCCAGGATCTGGATGATGGGCACAGGCGGGCGGT

FIGURE 15

SNP Name	Nucleotide position/ change	Oligo Type	Dye	Poly-morphism	Assay Oligo Sequence
CYP2D6_1973[Gins]	1973[insG]	Invader	NONE		CAGGCTGCTGGACCTAGCTCAGGAGGT
CYP2D6_1973[Gins]	1973[insG]	Probe	RED	INS	acggacgcggagGGATCGAAGGAGGAGT
CYP2D6_1973[Gins]	1973[insG]	Probe	FAM	DEL	CGCGCCGAGGGACTGAAGGAGGAGTCGV
CYP2D6_1973[Gins]	1973[insG]	Target	RED	INS	CCCGACTCCTCCTTCGATCCCCTCCTGAGCTAGGTCCAGCAGCCTGAGT
CYP2D6_1973[Gins]	1973[insG]	Target	FAM	DEL	AGCCCGACTCCTCCTTCAGTCCCTCCTGAGCTAGGTCCAGCAGCCTGAG
CYP2D6_3259insGT	3259insGT	Invader	NONE		GCCCTACACCACTGCCGTGATTCATGAGGC
CYP2D6_3259insGT	3259insGT	Probe	FAM	INS	CGCGCCGAGGTGTGCAGCGCTTTGV
CYP2D6_3259insGT	3259insGT	Probe	RED	DEL	ACGGACGCGGAGTGCAGCGCTTTGGV
CYP2D6_3259insGT	3259insGT	Target	FAM	INS	TGTCCCCAAAGCGCTGCACACCTCATGAATCACGGCAGTGGTGTAGGGCAT
CYP2D6_3259insGT	3259insGT	Target	RED	DEL	TGTCCCCAAAGCGCTGCACCTCATGAATCACGGCAGTGGTGTAGGGCAT
CYP2D6_E410K	3853G>A	Invader	NONE		CATCRGTGCTGAAGGATGAGGCCGTCTGGT
CYP2D6_E410K	3853G>A	Probe	RED	G	ACGGACGCGGAGGAGAAGCCCTTCCGV
CYP2D6_E410K	3853G>A	Probe	FAM	A	CGCGCCGAGGAAGAAGCCCTTCCGCV
CYP2D6_E410K	3853G>A	Target	RED	G	GGAAGCGGAAGGGCTTCTCCCAGACGGCCTCATCCTTCAGCACYGATGAC
CYP2D6_E410K	3853G>A	Target	FAM	A	GGAAGCGGAAGGGCTTCTTCCAGACGGCCTCATCCTTCAGCACYGATGAC
CYP2D6_G42R	124G>A	Invader	NONE		GGCCCCCTGCCACTGCCCT
CYP2D6_G42R	124G>A	Probe	RED	G	ACGGACGCGGAGGGGCTGGGCAACV
CYP2D6_G42R	124G>A	Probe	FAM	A	CGCGCCGAGGAGGCTGGGCAACCV
CYP2D6_G42R	124G>A	Target	RED	G	AGCAGGTTGCCCAGCCCGGGCAGTGGCAGGGGGCCTG
CYP2D6_G42R	124G>A	Target	FAM	A	AGCAGGTTGCCCAGCCTGGGCAGTGGCAGGGGGCCTG
CYP2D6_R201H	1943G>A	Invader	NONE		CGCCGCTTCGAGTACGACGACCCTCT
CYP2D6_R201H	1943G>A	Probe	FAM	G	CGCGCCGAGGGCTTCCTCAGGCTGV
CYP2D6_R201H	1943G>A	Probe	RED	A	ACGGACGCGGAGACTTCCTCAGGCTGCV
CYP2D6_R201H	1943G>A	Target	FAM	G	TCCAGCAGCCTGAGGAAGCGAGGGTCGTCGTACTCGAAGCGGCGCC
CYP2D6_R201H	1943G>A	Target	RED	A	TCCAGCAGCCTGAGGAAGTGAGGGTCGTCGTACTCGAAGCGGCGCC
CYP2D6_R440H	4042G>A	Invader	NONE		CCCTCCCCTCCCCACAGGCCT
CYP2D6_R440H	4042G>A	Probe	FAM	G	CGCGCCGAGGGCCGTGCATGCCV
CYP2D6_R440H	4042G>A	Probe	RED	A	ACGGACGCGGAGACCGTGCATGCCTV
CYP2D6_R440H	4042G>A	Target	FAM	G	CCCGAGGCATGCACGGCGGCCTGTGGGGAGGGGAGGGGC
CYP2D6_R440H	4042G>A	Target	RED	A	CCCGAGGCATGCACGGTGGCCTGTGGGGAGGGGAGGGGC
CYP2D6_V11M	31G>A	Invader	NONE		AGAAGCACTGGTGCCCCTGGCCT
CYP2D6_V11M	31G>A	Probe	FAM	G	CGCGCCGAGGGTGATAGTGGCCATCTTCV
CYP2D6_V11M	31G>A	Probe	RED	A	ACGGACGCGGAGATGATAGTGGCCATCTTCV
CYP2D6_V11M	31G>A	Target	FAM	G	GCAGGAAGATGGCCACTATCACGGCCAGGGGCACCAGTGCTTCTAG
CYP2D6_V11M	31G>A	Target	RED	A	GCAGGAAGATGGCCACTATCATGGCCAGGGGCACCAGTGCTTCTAG
CYP2D6_V338M	3183G>A	Invader	NONE		GGCCGTGTCCAACAGGAGATCGACGACT
CYP2D6_V338M	3183G>A	Probe	RED	G	ACGGACGCGGAGGTGATAGGGCAGGTGV
CYP2D6_V338M	3183G>A	Probe	FAM	A	CGCGCCGAGGATGATAGGGCAGGTGCV
CYP2D6_V338M	3183G>A	Target	RED	G	CGCCGCACCTGCCCTATCACGTCGTCGATCTCCTGTTGGACACGGCCTG
CYP2D6_V338M	3183G>A	Target	FAM	A	CGCCGCACCTGCCCTATCATGTCGTCGATCTCCTGTTGGACACGGCCTG

FIGURE 15

SNP Name	Nucleotide position/ change	Oligo Type	Dye	Poly-morphism	Assay Oligo Sequence
CYP2D6_V7M	19G>A	Invader	NONE		TGGCCACTATCAYGGCCAGGGGCAA
CYP2D6_V7M	19G>A	Probe	RED	G	ACGGACGCGGAGCCAGTGCTTCTAGCCV
CYP2D6_V7M	19G>A	Probe	FAM	A	CGCGCCGAGGTCAGTGCTTCTAGCCCV
CYP2D6_V7M	19G>A	Target	RED	G	TATGGGGCTAGAAGCACTGGTGCCCCTGGCCRTGATAGTGGCCATC
CYP2D6_V7M	19G>A	Target	FAM	A	TATGGGGCTAGAAGCACTGATGCCCCTGGCCRTGATAGTGGCCATC
CYP2D6_2549A>del		Invader	NONE		GCTGGGCTGGGTCCCAGGTCATCT
CYP2D6_2549A>del		Probe	RED	INS	ACGGACGCGGAGCTGTGCTCAGTTAGCAGV
CYP2D6_2549A>del		Probe	FAM	DEL	CGCGCCGAGGCGTGCTCAGTTAGCAGV
CYP2D6_2549A>del		Target	RED	INS	ATGAGCTGCTAACTGAGCACAGGATGACCTGGGACCCAGCCCAGCCC
CYP2D6_2549A>del		Target	FAM	DEL	ATGAGCTGCTAACTGAGCACGGATGACCTGGGACCCAGCCCAGCCC
CYP2D6_1707T>del		Invader	NONE		CAGGCGGCCTCCTCGGTCACCT
CYP2D6_1707T>del		Probe	FAM	INS	CGCGCCGAGGCACTGCTCCAGCGAV
CYP2D6_1707T>del		Probe	RED	DEL	ACGGACGCGGAGCCTGCTCCAGCGACV
CYP2D6_1707T>del		Target	FAM	INS	AGAAGTCGCTGGAGCAGTGGGTGACCGAGGAGGCCGCCTGCC
CYP2D6_1707T>del		Target	RED	DEL	AGAAGTCGCTGGAGCAGGGGTGACCGAGGAGGCCGCCTGCC
CYP2D6_1039C>T_V3	1039C>T	Invader	NONE		CTTGCCTTGGGAACGCGGCCCT
CYP2D6_1039C>T_V3	1039C>T	Probe	FAM	C	CGCGCCGAGGGAAACCCAGGATCTGGGV
CYP2D6_1039C>T_V3	1039C>T	Probe	RED	T	ACGGACGCGGAGAAAACCCAGGATCTGGGV
CYP2D6_1039C>T_V3	1039C>T	Target	FAM	C	TCACCCAGATCCTGGGTTTCGGGCCGCGTTCCCAAGGCAAGCA
CYP2D6_1039C>T_V3	1039C>T	Target	RED	T	TCACCCAGATCCTGGGTTTTGGGCCGCGTTCCCAAGGCAAGCA
CYP2D6_R296C_V4	2850C>T	Invader	NONE		GGCAGAGAACAGGTCAGCCACCACTATGCT
CYP2D6_R296C_V4	2850C>T	Probe	RED	C	ACGGACGCGGAGGCAGGTTCTCATCATTGAAGV
CYP2D6_R296C_V4	2850C>T	Probe	FAM	T	CGCGCCGAGGACAGGTTCTCATCATTGAAGCV
CYP2D6_R296C_V4	2850C>T	Target	RED	C	GCAGCTTCAATGATGAGAACCTGCGCATAGTGGTGGCTGACCTGTTCTCTGCCGG
CYP2D6_R296C_V4	2850C>T	Target	FAM	T	GCAGCTTCAATGATGAGAACCTGTGCATAGTGGTGGCTGACCTGTTCTCTGCCGG
CYP2D6*8_G169X_1/3	1758G>T	Invader	NONE		TGTGCCGCCTTCGCCRACCACTCyC
CYP2D6*8_G169X_1/3	1758G>T	Probe	FAM	G	CGCGCCGAGGGGTGGGTGATGGGCV
CYP2D6*8_G169X_1/3	1758G>T	Probe	RED	T	ACGGACGCGGAGTGTGGGTGATGGGCV
CYP2D6*8_G169X_1/3	1758G>T	Target	FAM	G	TTCTGCCCATCACCCACCrGAGTGGTYGGCGAAGGCGGCACAAA
CYP2D6*8_G169X_1/3	1758G>T	Target	RED	T	TTCTGCCCATCACCCACArGAGTGGTYGGCGAAGGCGGCACAAA
CYP2D6*14_G169R_1/3	1758G>A	Invader	NONE		TGTGCCGCCTTCGCCRACCACTCyT
CYP2D6*14_G169R_1/3	1758G>A	Probe	FAM	G	CGCGCCGAGGGGTGGGTGATGGGCV
CYP2D6*14_G169R_1/3	1758G>A	Probe	RED	A	ACGGACGCGGAGAGTGGGTGATGGGCV
CYP2D6*14_G169R_1/3	1758G>A	Target	FAM	G	TTCTGCCCATCACCCACCrGAGTGGTYGGCGAAGGCGGCACAAA
CYP2D6*14_G169R_1/3	1758G>A	Target	RED	A	TTCTGCCCATCACCCACTrGAGTGGTYGGCGAAGGCGGCACAAA
CYP2D6_H94R_AS	984A>G	Invader	NONE		TGCGCGAGGCGMTGGTGACCCT
CYP2D6_H94R_AS	984A>G	Probe	FAM	A	CGCGCCGAGGACGGCGAGGACACcV
CYP2D6_H94R_AS	984A>G	Probe	RED	G	ACGGACGCGGAGGCGGCGAGGACACV
CYP2D6_H94R_AS	984A>G	Target	FAM	A	TCGGCSGTGTCCTCGCCGTGGGTCACCAKCGCCTCGCGCACG
CYP2D6_H94R_AS	984A>G	Target	RED	G	TCGGCSGTGTCCTCGCCGCGGGTCACCAKCGCCTCGCGCACG

FIGURE 15

SNP Name	Nucleotide position/ change	Oligo Type	Dye	Poly-morphism	Assay Oligo Sequence
CYP2D6_2539-2542[delAACT]	2539-2542[delAACT]	Invader	NONE		GCTGGGTCCCAGGTCATCCGTGCTT
CYP2D6_2539-2542[delAACT]	2539-2542[delAACT]	Invader	NONE		GCTGGGTCCCAGGTCATCCTGTGCTT
CYP2D6_2539-2542[delAACT]	2539-2542[delAACT]	Probe	FAM	DEL	cgcgccgaggCAGCAGCTCATCCAG
CYP2D6_2539-2542[delAACT]	2539-2542[delAACT]	Probe	RED	INS	acggacgcggagCAGTTAGCAGCTCATCC
CYP2D6_2539-2542[delAACT]	2539-2542[delAACT]	Target	FAM	DEL	ACCCAGCTGGATGAGCTGCTGAGCACGGATGACCTGGGACCCAGCCC
CYP2D6_2539-2542[delAACT]	2539-2542[delAACT]	Target	FAM	DEL	ACCCAGCTGGATGAGCTGCTGAGCACAGGATGACCTGGGACCCAGCCC
CYP2D6_2539-2542[delAACT]	2539-2542[delAACT]	Target	RED	INS	ACCCAGCTGGATGAGCTGCTaactgAGCACGGATGACCTGGGACCCAGCCC
CYP2D6_2539-2542[delAACT]	2539-2542[delAACT]	Target	RED	INS	ACCCAGCTGGATGAGCTGCTaactgAGCACAGGATGACCTGGGACCCAGCCC
CYP2D6_2613-2615delAGA	2613-2615delAGA	Invader	NONE		CCACCGTGGCAGCCACTCTCACCC
CYP2D6_2613-2615delAGA	2613-2615delAGA	Probe	FAM	INS	CGCGCCGAGGTTCTCCATCTCTGCCAV
CYP2D6_2613-2615delAGA	2613-2615delAGA	Probe	RED	DEL	ACGGACGCGGAGTCCATCTCTGCCAGGV
CYP2D6_2613-2615delAGA	2613-2615delAGA	Target	FAM	INS	GCCTTCCTGGCAGAGATGGAGAAGGTGAGAGTGGCTGCCACGGTGGGG
CYP2D6_2613-2615delAGA	2613-2615delAGA	Target	RED	DEL	GCCTTCCTGGCAGAGATGGAGGTGAGAGTGGCTGCCACGGTGGGG
CYP2D6_172-174FRPrep(a)_is	1863ins[TTTCGCCC	Invader	NONE		CCCCARGACGCCCCTTTCGCCCT
CYP2D6_172-174FRPrep(a)_is	1863ins[TTTCGCCC	Probe	FAM	INS	CGCGCCGAGGCTTTCGCCCCTTTCGV
CYP2D6_172-174FRPrep(a)_is	1863ins[TTTCGCCC	Probe	RED	DEL	ACGGACGCGGAGCAACGGTCTCTTGGACV
CYP2D6_172-174FRPrep(a)_is	1863ins[TTTCGCCC	Target	FAM	INS	CTTTGTCCAAGAGACCGTTGGGGCGAAAGGGGCGAAAGGGGCGAAAGGGGCGTCYTGG
CYP2D6_172-174FRPrep(a)_is	1863ins[TTTCGCCC	Target	RED	DEL	CTTTGTCCAAGAGACCGTTGGGGCGAAAGGGGCGTCYTGGGGGT
CYP2D6_221C>A_as		Invader	NONE		GGAGGGCGGCAGAGGTSCTGAGGT
CYP2D6_221C>A_as		Probe	RED	C	ACGGACGCGGAGCTcCCCtACCAGAAGCAV
CYP2D6_221C>A_as		Probe	FAM	A	CGCGCCGAGGATgCCCcACCAGAAV
CYP2D6_221C>A_as		Target	RED	C	ATGTTTGCTTCTGGTaGGGgAGCCTCAGSACCTCTGCCGCCCTCCAG
CYP2D6_221C>A_as		Target	FAM	A	ATGTTTGCTTCTGGTgGGGcATCCTCAGSACCTCTGCCGCCCTCCAG
CYP2D6_221C>A_s		Invader	NONE		CCCACCATCCATGTTTGCTTCTGGTRGGGSAC
CYP2D6_221C>A_s		Probe	FAM	C	CGCGCCGAGGGCCTCAGcACCTCTGV
CYP2D6_221C>A_s		Probe	RED	A	ACGGACGCGGAGTCCTCAGgACCTCTGCV
CYP2D6_221C>A_s		Target	FAM	C	GGCGGCAGAGGTgCTGAGGCTSCCCYACCAGAAGCAAACATGGATGGTGGGTG
CYP2D6_221C>A_s		Target	RED	A	GGCGGCAGAGGTcCTGAGGATSCCCYACCAGAAGCAAACATGGATGGTGGGTG
CYP2D6_223C>G_as		Invader	NONE		GGAGGGCGGCAGAGGTSCTGAGGMTT
CYP2D6_223C>G_as		Probe	RED	C	ACGGACGCGGAGCCCCtACCAGAAGCAAacV
CYP2D6_223C>G_as		Probe	FAM	G	CGCGCCGAGGGCCCcACCAGAAGCV
CYP2D6_223C>G_as		Target	RED	C	ATGTTTGCTTCTGGTaGGGGAgCCTCAGcACCTCTGCCGCCCTCCAG
CYP2D6_223C>G_as		Target	FAM	G	ATGTTTGCTTCTGGTgGGGCAaCCTCAGgACCTCTGCCGCCCTCCAG
CYP2D6_223C>G_s		Invader (mutant)	NONE		CCACCCATGTTTGCTGGTGGTGGGGT
CYP2D6_223C>G_s		Invader (wild-type)	NONE		ACCCACCATCCATGTTTGCTTCTGGTRGGGT
CYP2D6_223C>G_s		Probe	RED	C	ACGGACGCGGAGGAgCCTCAGcACCTCV
CYP2D6_223C>G_s		Probe	FAM	G	CGCGCCGAGGCAtCCTCAGgACCTCTGV
CYP2D6_223C>G_s		Target	RED	C	GGCGGCAGAGGTgCTGAGGcTCCCCtACCAGAAGCAAACATGGATGGTGGGTGA

FIGURE 15

SNP Name	Nucleotide position/ change	Oligo Type	Dye	Poly-morphism	Assay Oligo Sequence
CYP2D6_223C>G_s		Target	FAM	G	GGCGGCAGAGGTcCTGAGGaTGCCCcACCAGAAGCAAACATGGATGGTGGGTGA
Copy Number Designs	Gene	Oligo	Sequence		
E	2D6	2D6 Invader	CCCGCGCCACCCACACTGAGCC		
E	Alpha Actin	Alpha Actin Invader	AGGAGTAGCCACGCTCGGTGAGGATCTTCATT		
E	2D6	Probe Arm3 2D6	ACGGACGCGGAGTTACAGCACAGGTGC		
E	Alpha Actin	Probe Arm1 Alpha Actin	CGCGCCGAGGCAGGTAGTCGGTGAGATC		
E	2D6	Synthetic Target Alpha Actin	GGACCGCACCTGTGCTGTAaGCTCAGTGTGGGTGGCGCGGGGC		
E	Alpha Actin	Synthetic Target 2D6	CGCGATCTCACCGACTACCTGAATGAAGATCCTCACCGAGCGTGGCTACTCCTTC		

FRET SEQUENCES
SEQ ID 242 (FRET probe FAM): Y-tct-X-agc-cgg-ttt-tcc-ggc-tga-gac-ctc-ggc-gcg-hex

SEQ ID 243 (FRET probe RED): Y-tct-X-agc-cgg-ttt-tcc-ggc-tga-gac-tcc-gcg-tcc-gt-hex

FIGURE 16A

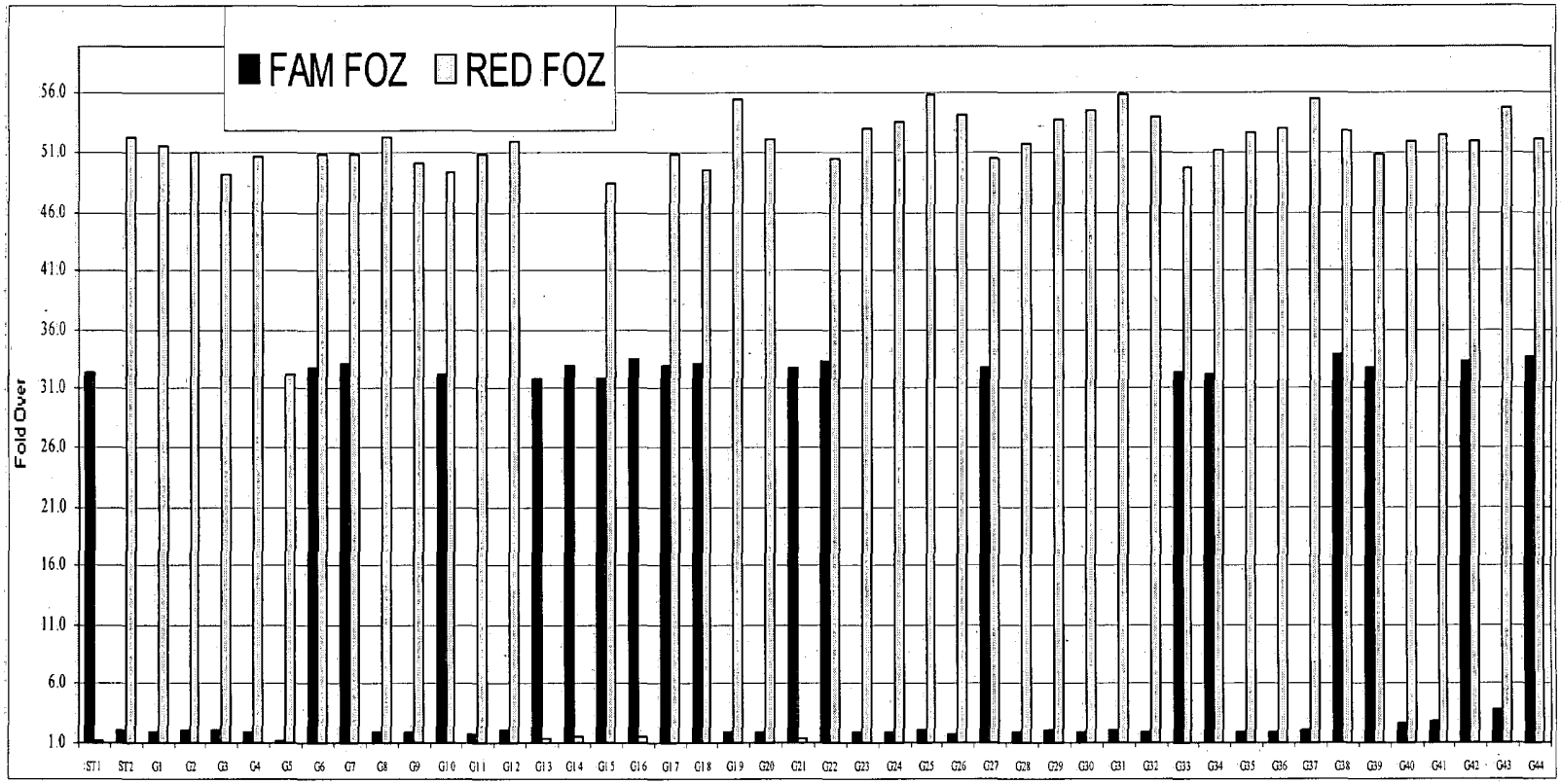

FAM FOZ
RED FOZ
Fold Over
56.0
51.0
46.0
41.0
36.0
31.0
26.0
21.0
16.0
11.0
6.0
1.0
ST1 ST2 G1 G2 G3 G4 G5 G6 G7 G8 G9 G10 G11 G12 G13 G14 G15 G16 G17 G18 G19 G20 G21 G22 G23 G24 G25 G26 G27 G28 G29 G30 G31 G32 G33 G34 G35 G36 G37 G38 G39 G40 G41 G42 G43 G44

FIGURE 16B

SAMPLE NUMBER	ALLELE RATIO	GENOTYPE		
1	26	R		
2	24.74	R		
3	23.71	R		
4	26.26	R		
5	27.43	R		
6	1.55		H	
7	1.54		H	
8	25.89	R		
9	24.82	R		
10	1.53		H	
11	28.7	R		
12	24.53	R		
13	0.05			F
14	0.05			F
15	1.52		H	
16	0.05			F
17	1.54		H	
18	1.49		H	
19	27.55	R		
20	27.81	R		
21	0.04			F
22	1.52		H	
23	26.5	R		
24	26.41	R		
25	26.62	R		
26	29.62	R		
27	1.54		H	
28	27	R		
29	25.76	R		
30	26.9	R		
31	26.42	R		
32	28.02	R		
33	1.53		H	
34	1.59		H	
35	27.49	R		
36	26.16	R		
37	26.28	R		
38	1.56		H	
39	1.55		H	
40	19.14	R		
41	18.48	R		
42	1.56			
43	14.51	R		
44	1.54		H	

FIGURE 17

Allele	Signature SNP
*3	2549A>del
*4	1846G>A
*5	CYP2D6 deleted
*6	1707T>del
*7	2935A>C
*8	1758G>T

FIGURE 18

Allele	Secondary Signature SNPs
*2	18 SNPs
*10	4 SNPs
*17	2 SNPs

FIGURE 19

GENE_COPY_NUMBER	G19A	G31A	C100T	G124A	G883C	A984G	C1023T	T1707DEL	G1758A	G1758T	G1846A	INS1863	G1943A	INS1973G	AACT2539DEL	A2549DEL	INS2573 or C221A or C223G	AGA2613DEL	C2850T	A2935C	G3183A	INS3259GT	G3853A	G4042A	G4180C	COPY_NUMBER_31G	COPY_NUMBER_10T	COPY_NUMBER_4180G	GENOTYPE	Caucasian Genotype Frequency
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w				*1/*1	0.132
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het				*1/*10	0.011
2	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*1/*11	< 0.001
2	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*1/*12	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*1/*14	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*1/*14	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*1/*17	0.002
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*1/*19	< 0.001
3	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	3	0	0	*1/*1X2	0.004
4	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	4	0	0	*1/*1X3	0.004
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*1/*2	0.236
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*1/*20	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	het				*1/*21	< 0.001
2	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*1/*28	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	het				*1/*29	0.002
3	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	3	0	2	*1/*2X2	0.009
4	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	4	0	3	*1/*2X3	0.009
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w				*1/*3	0.015
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	het				*1/*31	< 0.001
2	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*1/*35	< 0.001
3	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	1	0	2	*1/*35X2	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het				*1/*37	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het				*1/*4	0.151
2	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het				*1/*4	0.151
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	het				*1/*42	< 0.001
2	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w				*1/*4J	0.151
3	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	3	2	0	*1/*4JX2	0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*1/*4K	0.151
3	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	3	2	2	*1/*4KX2	0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	3	2	2	*1/*4X2	0.001
3	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	3	2	2	*1/*4X2	0.001
1	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w				*1/*5	0.015
2	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het				*1/*6	0.007
2	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w				*1/*6	0.007
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w				*1/*7	0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*1/*8	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w				*1/*9	0.013
2	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m				*10/*10	< 0.001
2	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*10/*11	< 0.001
2	w	w	het	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*10/*12	< 0.001

FIGURE 19

2	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*10/*14	< 0.001
2	w	w	m	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*10/*14	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*10/*17	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*10/*19	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*10/*20	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	m				*10/*21	< 0.001
2	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*10/*28	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	m				*10/*29	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	m				*10/*31	< 0.001
2	w	het	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*10/*35	< 0.001
3	w	het	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*10/*35X2	< 0.001
2	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m				*10/*37	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	m				*10/*42	< 0.001
2	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*11/*11	< 0.001
2	w	w	w	het	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*11/*12	< 0.001
2	w	w	het	w	het	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*11/*14	< 0.001
2	w	w	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*11/*14	< 0.001
2	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*11/*17	< 0.001
2	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*11/*19	< 0.001
2	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*11/*20	< 0.001
2	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	m	w	w	w	w	w	m				*11/*21	< 0.001
2	het	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*11/*28	< 0.001
2	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	het	w	w	w	m				*11/*29	< 0.001
2	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	het	m				*11/*31	< 0.001
2	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*11/*35	< 0.001
3	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*11/*35X2	< 0.001
2	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*11/*37	< 0.001
2	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	het	w	w	m				*11/*42	< 0.001
2	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*12/*12	< 0.001
2	w	w	het	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*12/*14	< 0.001
2	w	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*12/*14	< 0.001
2	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*12/*17	< 0.001
2	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*12/*19	< 0.001
2	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*12/*20	< 0.001
2	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	m	w	w	w	w	w	m				*12/*21	< 0.001
2	het	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*12/*28	< 0.001
2	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	het	w	w	w	m				*12/*29	< 0.001
2	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	het	m				*12/*31	< 0.001
2	w	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*12/*35	< 0.001
3	w	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*12/*35X2	< 0.001
2	w	w	het	het	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*12/*37	< 0.001
2	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	het	w	w	m				*12/*42	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*14/*14	< 0.001
2	w	w	m	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*14/*14	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*14/*14	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*14/*17	< 0.001

FIGURE 19

2	w	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***14/*17**	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***14/*19**	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***14/*19**	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***14/*20**	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***14/*20**	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	m	w	w	w	w	w	m				***14/*21**	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	m	w	w	w	w	w	m				***14/*21**	< 0.001
2	het	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***14/*28**	< 0.001
2	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***14/*28**	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	het	w	w	w	m				***14/*29**	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	het	w	w	w	m				***14/*29**	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	het	m				***14/*31**	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	het	m				***14/*31**	< 0.001
2	w	het	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***14/*35**	< 0.001
2	w	het	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***14/*35**	< 0.001
3	w	het	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***14/*35X2**	< 0.001
3	w	het	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***14/*35X2**	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				***14/*37**	< 0.001
2	w	w	m	w	w	w	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				***14/*37**	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	het	w	w	m				***14/*42**	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	het	w	w	m				***14/*42**	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***17/*17**	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***17/*19**	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***17/*20**	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	m	w	w	w	w	w	m				***17/*21**	< 0.001
2	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***17/*28**	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	het	w	w	w	m				***17/*29**	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	het	m				***17/*31**	< 0.001
2	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***17/*35**	< 0.001
3	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***17/*35X2**	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				***17/*37**	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	het	w	w	m				***17/*42**	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***19/*19**	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***19/*20**	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	het	w	m	w	w	w	w	w	m				***19/*21**	< 0.001
2	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***19/*28**	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	m	w	het	w	w	w	m				***19/*29**	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	m	w	w	w	w	het	m				***19/*31**	< 0.001
2	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***19/*35**	< 0.001
3	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***19/*35X2**	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				***19/*37**	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	m	w	w	het	w	w	m				***19/*42**	< 0.001
4	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	4	0	0	***1X2*1X2**	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het				***1X2/*10**	< 0.001
3	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				***1X2/*11**	< 0.001
3	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				***1X2/*12**	< 0.001

FIGURE 19

3	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				***1X2/*14**	< 0.001
3	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				***1X2/*14**	< 0.001
3	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				***1X2/*17**	< 0.001
3	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				***1X2/*19**	< 0.001
3	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	3	0	1	***1X2/*2**	0.003
3	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				***1X2/*20**	< 0.001
3	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	het				***1X2/*21**	< 0.001
3	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				***1X2/*28**	< 0.001
3	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	het				***1X2/*29**	< 0.001
4	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	4	0	2	***1X2/*2X2**	< 0.001
3	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w				***1X2/*3**	< 0.001
3	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	het				***1X2/*31**	< 0.001
3	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	2	0	1	***1X2/*35**	< 0.001
4	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	2	0	2	***1X2/*35X2**	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het				***1X2/*37**	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	3	1	1	***1X2/*4**	0.002
3	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	3	1	1	***1X2/*4**	0.002
3	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	het				***1X2/*42**	< 0.001
3	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	3	1	0	***1X2/*4J**	0.002
3	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	3	1	1	***1X2/*4K**	0.002
4	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	4	2	2	***1X2/*4KX2**	< 0.001
4	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	4	2	2	***1X2/*4X2**	< 0.001
4	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	4	2	2	***1X2/*4X2**	< 0.001
4	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	4	2	0	***1X2/*4X2**	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w				***1X2/*5**	< 0.001
3	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het				***1X2/*6**	< 0.001
3	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w				***1X2/*6**	< 0.001
3	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w				***1X2/*7**	< 0.001
3	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				***1X2/*8**	< 0.001
3	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w				***1X2/*9**	< 0.001
4	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het				***1X3/*10**	< 0.001
4	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				***1X3/*11**	< 0.001
4	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				***1X3/*12**	< 0.001
4	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				***1X3/*14**	< 0.001
4	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				***1X3/*14**	< 0.001
4	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				***1X3/*17**	< 0.001
4	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				***1X3/*19**	< 0.001
4	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	4	0	1	***1X3/*2**	0.003
4	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				***1X3/*20**	< 0.001
4	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	het				***1X3/*21**	< 0.001
4	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				***1X3/*28**	< 0.001
4	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	het				***1X3/*29**	< 0.001
4	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w				***1X3/*3**	< 0.001
4	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	het				***1X3/*31**	< 0.001
4	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	3	0	1	***1X3/*35**	< 0.001
4	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het				***1X3/*37**	< 0.001

FIGURE 19

4	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	4	1	1	*1X3/*4	0.002
4	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	4	1	1	*1X3/*4	0.002
4	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	het				*1X3/*42	< 0.001
4	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	4	1	0	*1X3/*4J	0.002
4	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	4	1	1	*1X3/*4K	0.002
3	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w				*1X3/*5	< 0.001
4	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het				*1X3/*6	< 0.001
4	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w				*1X3/*6	< 0.001
4	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w				*1X3/*7	< 0.001
4	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*1X3/*8	< 0.001
4	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w				*1X3/*9	< 0.001
4	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w				*1X4/*5	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*2/*10	0.010
2	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*2/*11	< 0.001
2	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*2/*12	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*2/*14	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*2/*14	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*2/*17	0.002
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*2/*19	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*2/*2	0.105
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*2/*20	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	m	w	w	w	w	w	m				*2/*21	< 0.001
2	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*2/*28	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	het	w	w	w	m				*2/*29	0.002
3	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m	3	0	3	*2/*2X2	0.008
4	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m	4	0	4	*2/*2X3	0.008
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*2/*3	0.013
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	het	m				*2/*31	< 0.001
2	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*2/*35	< 0.001
3	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m	1	0	3	*2/*35X2	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*2/*37	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*2/*4	0.134
2	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*2/*4	0.134
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	het	w	w	m				*2/*42	< 0.001
2	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*2/*4J	0.134
3	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	3	2	1	*2/*4JX2	0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*2/*4K	0.134
3	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m	3	2	3	*2/*4KX2	0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m	3	2	3	*2/*4X2	0.001
3	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m	3	2	3	*2/*4X2	0.001
1	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*2/*5	0.013
2	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*2/*6	0.006
2	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*2/*6	0.006
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	het				*2/*7	0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*2/*8	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	w	het				*2/*9	0.012

FIGURE 19

2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*20/*20	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	m	w	w	w	w	w	m				*20/*21	< 0.001
2	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*20/*28	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	m	w	het	w	w	w	m				*20/*29	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	m	w	w	w	w	het	m				*20/*31	< 0.001
2	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*20/*35	< 0.001
3	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*20/*35X2	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*20/*37	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	m	w	w	het	w	w	m				*20/*42	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	m	w	w	w	w	w	m				*21/*21	< 0.001
2	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	m	w	w	w	w	w	m				*21/*28	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	m	w	het	w	w	w	m				*21/*29	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	m	w	w	w	w	het	m				*21/*31	< 0.001
2	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	m	w	w	w	w	w	m				*21/*35	< 0.001
3	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	m	w	w	w	w	w	m				*21/*35X2	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	m				*21/*37	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	m	w	w	het	w	w	m				*21/*42	< 0.001
2	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*28/*28	< 0.001
2	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	het	w	w	w	m				*28/*29	< 0.001
2	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	het	m				*28/*31	< 0.001
2	het	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*28/*35	< 0.001
3	het	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*28/*35X2	< 0.001
2	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*28/*37	< 0.001
2	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	het	w	w	m				*28/*42	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	m	w	w	w	m				*29/*29	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	het	w	w	het	m				*29/*31	< 0.001
2	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	het	w	w	w	m				*29/*35	< 0.001
3	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	het	w	w	w	m				*29/*35X2	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	m				*29/*37	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	het	het	w	w	m				*29/*42	< 0.001
4	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m	4	0	4	*2X2*2X2	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*2X2/*10	< 0.001
3	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*2X2/*11	< 0.001
3	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*2X2/*12	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*2X2/*14	< 0.001
3	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*2X2/*14	< 0.001
3	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*2X2/*17	< 0.001
3	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*2X2/*19	< 0.001
3	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*2X2/*20	< 0.001
3	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	m	w	w	w	w	w	m				*2X2/*21	< 0.001
3	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*2X2/*28	< 0.001
3	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	het	w	w	w	m				*2X2/*29	< 0.001
3	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*2X2/*3	0.001
3	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	het	m				*2X2/*31	< 0.001
3	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m	2	0	3	*2X2/*35	< 0.001
4	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m	2	0	4	*2X2/*35X2	< 0.001

FIGURE 19

3	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				***2X2/*37**	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m	3	1	3	***2X2/*4**	0.005
3	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m	3	1	3	***2X2/*4**	0.005
3	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	het	w	w	m				***2X2/*42**	< 0.001
3	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	3	1	2	***2X2/*4J**	0.005
4	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	4	2	2	***2X2/*4JX2**	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m	3	1	3	***2X2/*4K**	0.005
4	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m	4	2	4	***2X2/*4KX2**	< 0.001
4	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m	4	2	4	***2X2/*4X2**	< 0.001
4	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m	4	2	4	***2X2/*4X2**	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***2X2/*5**	0.001
3	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				***2X2/*6**	< 0.001
3	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				***2X2/*6**	< 0.001
3	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	het				***2X2/*7**	< 0.001
3	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***2X2/*8**	< 0.001
3	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	w	het				***2X2/*9**	< 0.001
4	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				***2X3/*10**	< 0.001
4	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***2X3/*11**	< 0.001
4	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***2X3/*12**	< 0.001
4	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***2X3/*14**	< 0.001
4	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***2X3/*14**	< 0.001
4	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***2X3/*17**	< 0.001
4	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***2X3/*19**	< 0.001
4	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***2X3/*20**	< 0.001
4	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	m	w	w	w	w	w	m				***2X3/*21**	< 0.001
4	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***2X3/*28**	< 0.001
4	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	het	w	w	w	m					***2X3/*29**	< 0.001
4	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het						***2X3/*3**	0.001
4	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	het	m					***2X3/*31**	< 0.001
4	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m	3	0	4		***2X3/*35**	< 0.001
4	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				***2X3/*37**	< 0.001
4	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m	4	1	4	***2X3/*4**	0.005
4	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m	4	1	4	***2X3/*4**	0.005
4	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	het	w	w	m				***2X3/*42**	< 0.001
4	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	4	1	3	***2X3/*4J**	0.005
4	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m	4	1	4	***2X3/*4K**	0.005
3	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***2X3/*5**	0.001
4	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				***2X3/*6**	< 0.001
4	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				***2X3/*6**	< 0.001
4	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	het				***2X3/*7**	< 0.001
4	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***2X3/*8**	< 0.001
4	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	w	het				***2X3/*9**	< 0.001
4	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				***2X4/*5**	0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	het				***3/*10**	0.001
2	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	het				***3/*11**	< 0.001
2	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	het				***3/*12**	< 0.001

FIGURE 19

2	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*3/*14	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*3/*14	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*3/*17	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*3/*19	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*3/*20	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	het	w	w	w	w	w	het				*3/*21	< 0.001
2	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*3/*28	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	het	w	w	w	het				*3/*29	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w				*3/*3	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	het				*3/*31	< 0.001
2	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*3/*35	< 0.001
3	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*3/*35X2	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	het				*3/*37	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	het				*3/*4	0.008
2	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	het				*3/*4	0.008
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	het	w	w	het				*3/*42	< 0.001
2	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w				*3/*4J	0.008
3	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w				*3/*4JX2	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*3/*4K	0.008
3	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*3/*4KX2	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	het				*3/*4X2	< 0.001
3	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	het				*3/*4X2	< 0.001
1	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w				*3/*5	0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	het				*3/*6	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w				*3/*6	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	w	w				*3/*7	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*3/*8	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w				*3/*9	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	m	m				*31/*31	< 0.001
2	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	het	m				*31/*35	< 0.001
3	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	het	m				*31/*35X2	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	m				*31/*37	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	het	w	het	m				*31/*42	< 0.001
2	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*35/*35	< 0.001
3	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m	0	0	3	*35/*35X2	< 0.001
2	w	het	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*35/*37	< 0.001
2	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	het	w	w	m				*35/*42	< 0.001
4	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m	0	0	4	*35X2/*35X2	< 0.001
3	w	het	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*35X2/*37	< 0.001
3	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	het	w	w	m				*35X2/*42	< 0.001
2	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m				*37/*37	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	m				*37/*42	< 0.001
2	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m				*4/*10	0.006
2	w	w	m	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m				*4/*10	0.006
2	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4/*11	< 0.001
2	w	w	het	w	het	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4/*11	< 0.001

FIGURE 19

2	w	w	het	het	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4/*12	< 0.001
2	w	w	het	het	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4/*12	< 0.001
2	w	w	m	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*4/*14	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4/*14	< 0.001
2	w	w	het	w	w	het	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4/*14	< 0.001
2	w	w	m	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4/*14	< 0.001
2	w	w	m	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*4/*14	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4/*17	0.001
2	w	w	het	w	w	het	het	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4/*17	0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4/*19	< 0.001
2	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4/*19	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4/*20	< 0.001
2	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4/*20	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	m				*4/*21	< 0.001
2	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	m				*4/*21	< 0.001
2	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4/*28	< 0.001
2	het	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4/*28	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	m				*4/*29	0.001
2	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	m				*4/*29	0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	m				*4/*31	< 0.001
2	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	m				*4/*31	< 0.001
2	w	het	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4/*35	< 0.001
2	w	het	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4/*35	< 0.001
3	w	het	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m	1	1	3	*4/*35X2	< 0.001
3	w	het	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m	1	1	3	*4/*35X2	< 0.001
2	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m				*4/*37	< 0.001
2	w	w	m	w	w	het	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m				*4/*37	< 0.001
2	w	w	m	w	w	het	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m				*4/*4	0.043
2	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m				*4/*4	0.043
2	w	w	m	w	w	m	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m				*4/*4	0.043
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	m				*4/*42	< 0.001
2	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	m				*4/*42	< 0.001
2	w	w	m	w	w	het	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het				*4/*4J	0.043
2	w	w	m	w	w	m	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het				*4/*4J	0.043
3	w	w	m	w	w	het	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	3	3	1	*4/*4JX2	< 0.001
3	w	w	m	w	w	m	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	3	3	1	*4/*4JX2	< 0.001
2	w	w	m	w	w	het	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4/*4K	0.043
2	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4/*4K	0.043
3	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m	3	3	3	*4/*4KX2	< 0.001
3	w	w	m	w	w	het	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m	3	3	3	*4/*4KX2	< 0.001
3	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	3	3	3	*4/*4X2	< 0.001
3	w	w	m	w	w	het	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	3	3	3	*4/*4X2	< 0.001
3	w	w	m	w	w	m	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	3	3	3	*4/*4X2	< 0.001
1	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m				*4/*5	0.008
1	w	w	m	w	w	m	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m				*4/*5	0.008
2	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het				*4/*6	0.004

FIGURE 19

2	w	w	het	w	w	het	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het				*4/*6	0.004
2	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m				*4/*6	0.004
2	w	w	het	w	w	het	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m				*4/*6	0.004
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het				*4/*7	< 0.001
2	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het				*4/*7	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4/*8	< 0.001
2	w	w	het	w	w	het	w	w	w	het	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4/*8	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	het				*4/*9	0.007
2	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	het				*4/*9	0.007
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	m	w	w	m				*42/*42	< 0.001
2	w	w	m	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het				*4J/*10	0.006
2	w	w	het	w	het	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*4J/*11	< 0.001
2	w	w	het	het	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*4J/*12	< 0.001
2	w	w	het	w	w	het	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*4J/*14	< 0.001
2	w	w	het	w	w	het	het	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*4J/*17	0.001
2	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*4J/*19	< 0.001
2	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*4J/*20	< 0.001
2	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	het				*4J/*21	< 0.001
2	het	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*4J/*28	< 0.001
2	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	het				*4J/*29	0.001
2	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	het				*4J/*31	< 0.001
2	w	het	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*4J/*35	< 0.001
3	w	het	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	1	1	2	*4J/*35X2	< 0.001
2	w	w	m	w	w	het	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het				*4J/*37	< 0.001
2	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	het				*4J/*42	< 0.001
2	w	w	m	w	w	m	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w				*4J/*4J	0.043
3	w	w	m	w	w	m	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	3	3	0	*4J/*4JX2	< 0.001
2	w	w	m	w	w	het	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*4J/*4K	0.043
3	w	w	m	w	w	het	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	3	3	2	*4J/*4KX2	< 0.001
3	w	w	m	w	w	het	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	3	3	2	*4J/*4X2	< 0.001
3	w	w	m	w	w	m	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	3	3	2	*4J/*4X2	< 0.001
1	w	w	m	w	w	m	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w				*4J/*5	0.008
2	w	w	het	w	w	het	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w				*4J/*6	0.004
2	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w				*4J/*7	< 0.001
2	w	w	het	w	w	het	w	w	w	het	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*4J/*8	< 0.001
2	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w				*4J/*9	0.007
3	w	w	m	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het				*4JX2/*10	< 0.001
3	w	w	het	w	het	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*4JX2/*11	< 0.001
3	w	w	het	het	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*4JX2/*12	< 0.001
3	w	w	het	w	w	het	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*4JX2/*14	< 0.001
3	w	w	m	w	w	het	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*4JX2/*14	< 0.001
3	w	w	het	w	w	het	het	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*4JX2/*17	< 0.001
3	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*4JX2/*19	< 0.001
3	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*4JX2/*20	< 0.001
3	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	het				*4JX2/*21	< 0.001
3	het	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*4JX2/*28	< 0.001

FIGURE 19

3	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	het				*4JX2/*29	< 0.001
3	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	het				*4JX2/*31	< 0.001
3	w	het	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	2	2	1	*4JX2/*35	< 0.001
4	w	het	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	2	2	2	*4JX2/*35X2	< 0.001
3	w	w	m	w	w	het	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het				*4JX2/*37	< 0.001
3	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	het				*4JX2/*42	< 0.001
4	w	w	m	w	w	m	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	4	4	0	*4JX2/*4JX2	< 0.001
4	w	w	m	w	w	het	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	4	4	2	*4JX2/*4KX2	< 0.001
2	w	w	m	w	w	m	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w				*4JX2/*5	< 0.001
3	w	w	het	w	w	het	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w				*4JX2/*6	< 0.001
3	w	w	het	w	w	het	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het				*4JX2/*6	< 0.001
3	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w				*4JX2/*7	< 0.001
3	w	w	het	w	w	het	w	w	w	het	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*4JX2/*8	< 0.001
3	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w				*4JX2/*9	< 0.001
2	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4K/*10	0.006
2	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*4K/*11	< 0.001
2	w	w	het	het	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*4K/*12	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*4K/*14	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*4K/*17	0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*4K/*19	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*4K/*20	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	m	w	w	w	w	w	m				*4K/*21	< 0.001
2	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*4K/*28	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	m	w	het	w	w	w	m				*4K/*29	0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	het	m				*4K/*31	< 0.001
2	w	het	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*4K/*35	< 0.001
3	w	het	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m	1	1	3	*4K/*35X2	< 0.001
2	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4K/*37	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	het	w	w	m				*4K/*42	< 0.001
3	w	w	m	w	w	het	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	3	3	1	*4K/*4JX2	< 0.001
2	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*4K/*4K	0.043
3	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m	3	3	3	*4K/*4KX2	< 0.001
3	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m	3	3	3	*4K/*4X2	< 0.001
3	w	w	m	w	w	het	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m	3	3	3	*4K/*4X2	< 0.001
1	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*4K/*5	0.008
2	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*4K/*6	0.004
2	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4K/*6	0.004
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	het				*4K/*7	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*4K/*8	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	w	het				*4K/*9	0.007
3	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4KX2/*10	< 0.001
3	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*4KX2/*11	< 0.001
3	w	w	het	het	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*4KX2/*12	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*4KX2/*14	< 0.001
3	w	w	m	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*4KX2/*14	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*4KX2/*17	< 0.001

FIGURE 19

3	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*4KX2/*19	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*4KX2/*20	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	m	w	w	w	w	w	m				*4KX2/*21	< 0.001
3	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*4KX2/*28	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	m	w	het	w	w	w	m				*4KX2/*29	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	het	m				*4KX2/*31	< 0.001
3	w	het	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m	2	2	3	*4KX2/*35	< 0.001
4	w	het	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m	2	2	4	*4KX2/*35X2	< 0.001
3	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4KX2/*37	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	het	w	w	m				*4KX2/*42	< 0.001
4	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m	4	4	4	*4KX2/*4KX2	< 0.001
2	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*4KX2/*5	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*4KX2/*6	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4KX2/*6	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	het				*4KX2/*7	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*4KX2/*8	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	w	het				*4KX2/*9	< 0.001
3	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m				*4X2/*10	< 0.001
3	w	w	m	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m				*4X2/*10	< 0.001
3	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4X2/*11	< 0.001
3	w	w	het	w	het	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4X2/*11	< 0.001
3	w	w	het	het	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4X2/*12	< 0.001
3	w	w	het	het	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4X2/*12	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4X2/*14	< 0.001
3	w	w	m	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4X2/*14	< 0.001
3	w	w	het	w	w	het	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4X2/*14	< 0.001
3	w	w	m	w	w	het	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4X2/*14	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	het	het	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4X2/*17	< 0.001
3	w	w	het	w	w	het	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4X2/*17	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4X2/*19	< 0.001
3	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4X2/*19	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4X2/*20	< 0.001
3	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4X2/*20	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	m				*4X2/*21	< 0.001
3	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	m				*4X2/*21	< 0.001
3	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4X2/*28	< 0.001
3	het	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4X2/*28	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	m				*4X2/*29	< 0.001
3	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	m				*4X2/*29	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	m				*4X2/*31	< 0.001
3	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	m				*4X2/*31	< 0.001
3	w	het	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m	2	2	3	*4X2/*35	< 0.001
3	w	het	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m	2	2	3	*4X2/*35	< 0.001
4	w	het	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m	2	2	4	*4X2/*35X2	< 0.001
4	w	het	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m	2	2	4	*4X2/*35X2	< 0.001
3	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m				*4X2/*37	< 0.001

FIGURE 19

3	w	w	m	w	w	het	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m				*4X2/*37	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	m				*4X2/*42	< 0.001
3	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het.	w	w	het	w	w	m				*4X2/*42	< 0.001
4	w	w	m	w	w	het	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	4	4	2	*4X2/*4JX2	< 0.001
4	w	w	m	w	w	m	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	4	4	2	*4X2/*4JX2	< 0.001
4	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m	4	4	4	*4X2/*4KX2	< 0.001
4	w	w	m	w	w	het	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m	4	4	4	*4X2/*4KX2	< 0.001
4	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	4	4	4	*4X2/*4X2	< 0.001
4	w	w	m	w	w	het	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	4	4	4	*4X2/*4X2	< 0.001
4	w	w	m	w	w	m	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	4	4	4	*4X2/*4X2	< 0.001
2	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m				*4X2/*5	< 0.001
2	w	w	m	w	w	m	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m				*4X2/*5	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het				*4X2/*6	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m				*4X2/*6	< 0.001
3	w	w	het	w	w	het	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het				*4X2/*6	< 0.001
3	w	w	het	w	w	het	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m				*4X2/*6	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het				*4X2/*7	< 0.001
3	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het				*4X2/*7	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4X2/*8	< 0.001
3	w	w	het	w	w	het	w	w	w	het	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*4X2/*8	< 0.001
3	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	het				*4X2/*9	< 0.001
3	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	het				*4X2/*9	< 0.001
1	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m				*5/*10	0.001
1	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*5/*11	< 0.001
1	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*5/*12	< 0.001
1	w	w	m	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*5/*14	< 0.001
1	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*5/*14	< 0.001
1	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*5/*17	< 0.001
1	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	m				*5/*19	< 0.001
1	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	m				*5/*20	< 0.001
1	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	m	w	w	w	w	w	w	m				*5/*21	< 0.001
1	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	m				*5/*28	< 0.001
1	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	m	w	w	w	w	m				*5/*29	< 0.001
1	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	m	m					*5/*31	< 0.001
1	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m					*5/*35	< 0.001
2	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m					*5/*35X2	< 0.001
1	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m				*5/*37	< 0.001
1	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	m	w	w	m				*5/*42	< 0.001
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	w	0	0	0	0	0	0	0				*5/*5	< 0.001
1	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m				*5/*6	< 0.001
1	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w				*5/*6	< 0.001
1	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w					*5/*7	< 0.001
1	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*5/*8	< 0.001
1	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w				*5/*9	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het				*6/*10	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m				*6/*10	< 0.001

FIGURE 19

2	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*6/*11	< 0.001
2	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*6/*11	< 0.001
2	w	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*6/*12	< 0.001
2	w	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*6/*12	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*6/*14	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*6/*14	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*6/*14	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*6/*14	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*6/*17	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*6/*17	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*6/*19	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*6/*19	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*6/*20	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*6/*20	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	het				*6/*21	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	m				*6/*21	< 0.001
2	het	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*6/*28	< 0.001
2	het	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*6/*28	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	het				*6/*29	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	m				*6/*29	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	het				*6/*31	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	m				*6/*31	< 0.001
2	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*6/*35	< 0.001
2	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*6/*35	< 0.001
3	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*6/*35X2	< 0.001
3	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*6/*35X2	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het				*6/*37	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m				*6/*37	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	het				*6/*42	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	m				*6/*42	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het				*6/*6	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m				*6/*6	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w				*6/*6	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het				*6/*7	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w				*6/*7	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*6/*8	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*6/*8	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w				*6/*9	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	het				*6/*9	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het				*7/*10	< 0.001
2	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	het				*7/*11	< 0.001
2	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	het				*7/*12	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	het				*7/*14	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	het				*7/*14	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	het				*7/*17	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	het	het	w	w	w	w	het				*7/*19	< 0.001

FIGURE 19

2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	het				*7/*20	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	het	het	w	w	w	w	het				*7/*21	< 0.001
2	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	het				*7/*28	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	het	w	w	w	het				*7/*29	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	het	het				*7/*31	< 0.001
2	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	het				*7/*35	< 0.001
3	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	het				*7/*35X2	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het				*7/*37	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	het	w	w	het				*7/*42	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w				*7/*7	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	het				*7/*8	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	het	w	w	w	w	w				*7/*9	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*8/*10	< 0.001
2	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*8/*11	< 0.001
2	w	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*8/*12	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*8/*14	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*8/*14	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*8/*17	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*8/*19	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	het	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*8/*20	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	het	w	m	w	w	w	w	w	m				*8/*21	< 0.001
2	het	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*8/*28	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	het	w	w	w	m				*8/*29	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	het	m				*8/*31	< 0.001
2	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*8/*35	< 0.001
3	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*8/*35X2	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	m				*8/*37	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	het	w	w	m				*8/*42	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	m				*8/*8	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	w	het				*8/*9	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	m	w	w	w	w	w	w	w				*9/*9	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	het				*9/*10	< 0.001
2	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	w	het				*9/*11	< 0.001
2	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	w	het				*9/*12	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	w	het				*9/*14	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	w	het				*9/*14	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	w	het				*9/*17	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	het	het	w	w	w	w	w	het				*9/*19	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	het	het	w	w	w	w	w	het				*9/*20	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	het	w	w	w	w	w	het				*9/*21	< 0.001
2	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	w	het				*9/*28	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	het	w	w	w	het				*9/*29	< 0.001
2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	het	het				*9/*31	< 0.001
2	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	w	het				*9/*35	< 0.001
3	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	w	w	w	het				*9/*35X2	< 0.001
2	w	w	het	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	w	w	w	w	het	w	w	w	w	w	w	het				*9/*37	< 0.001

FIGURE 19

2	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	w	het	het	w	w	het	w	w	het				*9/*42	< 0.001

FIGURE 20